

(12) NACH DEM VERTRAG ÜBER DIE INTERNATIONALE ZUSAMMENARBEIT AUF DEM GEBIET DES
PATENTWESENS (PCT) VERÖFFENTLICHTE INTERNATIONALE ANMELDUNG

(19) Weltorganisation für geistiges Eigentum
Internationales Büro



(43) Internationales Veröffentlichungsdatum
30. Mai 2002 (30.05.2002)

PCT

(10) Internationale Veröffentlichungsnummer
WO 02/42777 A2

(51) Internationale Patentklassifikation⁷: G01N 33/68

(21) Internationales Aktenzeichen: PCT/EP01/13592

(22) Internationales Anmeldedatum:
22. November 2001 (22.11.2001)

(25) Einreichungssprache: Deutsch

(26) Veröffentlichungssprache: Deutsch

(30) Angaben zur Priorität:
100 58 596.5 25. November 2000 (25.11.2000) DE

(71) Anmelder: AVENTIS PHARMA DEUTSCHLAND
GMBH [DE/DE]; Brüningstraße 50, 65929 Frankfurt
(DE). VASOPHARM BIOTECH GMBH [DE/DE];
Sedanstrasse 27, 97082 Würzburg (DE).

(72) Erfinder: JORDAN, Birgit; Im Höhlchen 44, 65795 Hat-
tersheim (DE). DRÜCKES, Peter; Hummelstr. 11, 79100
Freiburg (DE). JARCHAU, Thomas; St. Rochus-Str. 66,
97078 Würzburg (DE). WALTER, Ulrich; Leichtacker 6,
97209 Veitshöchheim (DE).

(81) Bestimmungsstaaten (*national*): AE, AG, AL, AM, AT,
AU, AZ, BA, BB, BG, BR, BY, BZ, CA, CH, CN, CO, CR,
CU, CZ, DE, DK, DM, DZ, EE, ES, FI, GB, GD, GE, GH,
GM, HR, HU, ID, IL, IN, IS, JP, KE, KG, KP, KR, KZ, LC,
LK, LR, LS, LT, LU, LV, MA, MD, MG, MK, MN, MW,
MX, MZ, NO, NZ, OM, PH, PL, PT, RO, RU, SD, SE, SG,
SI, SK, SL, TJ, TM, TR, TT, TZ, UA, UG, UZ, VN, YU,
ZA, ZW.

(84) Bestimmungsstaaten (*regional*): ARIPO-Patent (GH,
GM, KE, LS, MW, MZ, SD, SL, SZ, TZ, UG, ZM, ZW),
eurasisches Patent (AM, AZ, BY, KG, KZ, MD, RU, TJ,
TM), europäisches Patent (AT, BE, CH, CY, DE, DK,
ES, FI, FR, GB, GR, IE, IT, LU, MC, NL, PT, SE, TR),
OAPI-Patent (BF, BJ, CF, CG, CI, CM, GA, GN, GQ, GW,
ML, MR, NE, SN, TD, TG).

Veröffentlicht:

— ohne internationalen Recherchenbericht und erneut zu
veröffentlichen nach Erhalt des Berichts

*Zur Erklärung der Zweibuchstaben-Codes und der anderen
Abkürzungen wird auf die Erklärungen ("Guidance Notes on
Codes and Abbreviations") am Anfang jeder regulären Ausgabe
der PCT-Gazette verwiesen.*

(54) Title: METHOD FOR THE SCREENING OF CHEMICAL COMPOUNDS FOR MODULATION OF THE INTERACTION
BETWEEN AN EVH1 DOMAIN OR A PROTEIN WITH AN EVH1 DOMAIN AND AN EVH1 BINDING DOMAIN OR A
PROTEIN WITH AN EVH1 BINDING DOMAIN AND A METHOD FOR DETECTION OF SAID INTERACTION

(54) Bezeichnung: VERFAHREN ZUM SCREENING VON CHEMISCHEN VERBINDUNGEN ZUR MODULIERUNG DER
WECHSELWIRKUNG EINER EVH1-DOMÄNE ODER EINES PROTEINS MIT EINER EVH1-DOMÄNE MIT EINER EVH1-
BINDEDOMÄNE ODER EINEM PROTEIN MIT EINER EVH1-BINDEDOMÄNE SOWIE EIN VERFAHREN ZUM NACH-
WEIS BESAGTER WECHSELWIRKUNG

(57) Abstract: The invention relates to methods for the identification of chemical compounds which can modulate the interaction
between VASP and zyxin. VASP or a VASP derivative and zyxin or a zyxin derivative, which interact with each other, are brought into
contact with a chemical compound under investigation. The influence on the interaction can be determined by means of antibodies
for VASP or a VASP derivative and/or zyxin or a zyxin derivative, or by means of fluorescent markings on VASP or a VASP derivative
and zyxin or a zyxin derivative.

(57) Zusammenfassung: Die Erfindung betrifft Verfahren zur Identifizierung von chemischen Verbindungen, welche die Wechsel-
wirkung zwischen VASP und Zyxin modulieren können. VASP oder ein VASP-Derivat und Zyxin oder ein Zyxinderivat, welche
miteinander wechselwirken, werden in Kontakt gebracht mit einer zu untersuchenden chemischen Verbindung. Die Beeinflussung
der Wechselwirkung kann mittels Antikörper gegen VASP oder ein VASP-Derivat und/oder Zyxin oder ein Zyxinderivat oder mit
Hilfe von fluoreszenzmarkierungen an VASP oder einem VASP-Derivat und Zyxin oder einem Zyxinderivat bestimmt werden.

WO 02/42777 A2

Beschreibung

Verfahren zum Screening von chemischen Verbindungen zur Modulierung der Wechselwirkung einer EVH1-Domäne oder eines Proteins mit einer EVH1-Domäne mit
5 einer EVH1-Bindedomäne oder einem Protein mit einer EVH1-Bindedomäne sowie ein Verfahren zum Nachweis besagter Wechselwirkung

Die Erfindung betrifft Verfahren zur Identifizierung einer chemischen Verbindung, welche die Wechselwirkung einer EVH1-Domäne oder eines Proteins mit einer EVH1-
10 Domäne und einer EVH1-Bindedomäne oder eines Proteins mit einer EVH1-Bindedomäne insbesondere zwischen VASP oder einem VASP-Derivat und Zyxin oder einem Zyxinderivat modulieren kann, sowie ein Verfahren zum Nachweis dieser Wechselwirkung.

15 Die Wechselwirkung von Proteinen mittels EVH1-Domänen und EVH1-Bindedomänen spielt eine bedeutende Rolle insbesondere bei Signaltransduktionswegen, die beteiligt sind bei der Adhäsion von Zellen an Geweboberflächen und deren Motilität, der Änderung der Gestalt von Zellen und ihrer Aggregation insbesondere der Aktivierung von Blutplättchen und Lymphozyten. Solche Vorgänge wirken möglicherweise bei der
20 Entstehung und dem Verlauf einer Vielzahl von Krankheiten ursächlich mit, insbesondere beispielsweise bei inflammatorischen Erkrankungen, Erkrankungen der Blutgefäße, des Herzkreislaufsystems und seiner Organe oder bei neoplastischen Zell- und Gewebsveränderungen wie Krebs .

25 Es gibt eine Vielzahl von Proteinen, welche eine EVH1-Domäne oder eine EVH1-Bindedomäne enthalten. Ein Protein mit einer EVH1-Bindedomäne ist beispielsweise Zyxin, während VASP beispielsweise ein Protein mit einer EVH1-Domäne ist. Die Domäne eines Proteins ist ein dreidimensionaler Bereich eines Proteins oder eine Proteinoberfläche, die von mehreren Abschnitten einer Peptidkette gebildet werden
30 kann und sich als kompakter Bereich eigenständig falten kann. Einer EVH1(Ena-VASP-Homologie)-Domäne liegt ein hochkonservierter Sequenzabschnitt von etwa 115 Aminosäuren Länge zugrunde, der in allen Proteinen der Ena-VASP-Familie

vorkommt und für ihre korrekte subzelluläre Lokalisation durch Wechselwirkung mit den jeweiligen EVH1-Bindeproteinen verantwortlich ist. Die EVH1-Domäne besteht aus sieben β -Faltblättern und einer C-terminalen α -Helix, die in einer charakteristischen "barrel"-Struktur gefaltet sind. Sie weist eine hohe strukturelle Ähnlichkeit zu Pleckstrin-Homologie(PH)- und zu Phosphotyrosin-Bindungs(PTB)-Domänen auf. Die EVH1-Domänen der Ena/VASP-Proteinfamilie erkennen in den verschiedenen EVH1-Bindeproteinen prolinreiche Peptidsequenzen mit einem FPPPP-Kernmotiv, die in Form einer Polyprolin-Helix vom Typ II gefaltet sind. EVH1-Bindeproteine mit solchen FPPPP-Sequenzmotiven sind z.B. die zytoskelettassoziierten Proteine Zyxin und Vinculin oder das Oberflächenprotein ActA des fakultativ intrazellulären Bakteriums *Listeria monocytogenes*. Zyxin und VASP wechselwirken aufgrund der Interaktion der EVH1-Domänen von VASP und der FPPPP-Motive in der EVH1-Bindedomäne von Zyxin. VASP steht als Abkürzung für "Vasodilator-Stimulated Phosphoprotein". VASP wird in fast allen Säugerzellen exprimiert und stellt dort ein Substrat der cAMP- und cGMP-abhängigen Proteinkinasen dar. Homologe Proteine zu VASP bilden zusammen mit letzterem die Ena/VASP-Proteinfamilie und konnten wie z.B. das Ena-Protein in *Drosophila* oder die Mena- und Evi-Proteine in der Maus nachgewiesen werden. Besonders hohe Konzentrationen an VASP finden sich beim Menschen in kardiovaskulären Zellen, insbesondere in Thrombozyten, Endothelzellen, in glatten Muskelzellen und in Neointimazellen. In kultivierten Zellen findet sich VASP assoziiert mit Zell-Matrix-Kontaktstellen (fokalen Adhäsionspunkten), Zell-Zell Kontakten, dem Aktinfilamentsystem und dynamischen Membranstrukturen, z.B. dem Leitsaum beweglicher Zellen. Viele experimentelle Daten belegen, daß VASP als Adaptermolekül Profilaktin an Orten mit den Zytoskelettproteinen Zyxin und Vinculin oder mit dem Oberflächenprotein ActA in mit *Listeria spec.* infizierten Zellen bereitstellt. Das EVH1-Domänen bindende FPPPP-Motiv in den Proteinen Zyxin, Vinculin und ActA und die EVH1-Domäne in VASP wurden funktionell und auch strukturell mittels NMR-Strukturaufklärung charakterisiert. Funktionelle Untersuchungen belegen, daß VASP ein entscheidender Faktor für eine gesteigerte, ortsgebundene Aktinfilamentbildung und damit auch ein wichtiger Faktor für die Regulation von Zelladhäsion und Zellmotilität ist. VASP wirkt dabei in direkter Wechselwirkung mit anderen Proteinen wie beispielsweise Zyxin, Vinculin oder

Profilin. Dies konnte z.B. durch die Mikroinjektion von Peptiden, welche das Bindungsmotiv der VASP-Zyxin-Wechselwirkung enthalten, gezeigt werden. [Eine Übersicht hierzu in: Reinhard M, Jarchau T, Reinhard K, and Walter U. (1999) VASP. In : Guidebook to the Cytoskeletal and Motor Proteins (Eds., Kreis,T., and Vale,R.),
5 Oxford University Press, Oxford, pp. 168 –171]. Aus diesen Gründen wird der Komplex zwischen VASP und Zyxin als neuartige potentielle Zielstruktur angesehen, um durch Entwicklung entsprechender diese Wechselwirkung modulierender Arzneimittel Erkrankungen mit pathologisch veränderter Zelladhäsion und Zellmotilität wie beispielsweise Arterienverkalkung, Gerinnungsstörungen und damit im
10 Zusammenhang stehende Herz-Kreislaufkrankungen günstig beeinflussen zu können. VASP und Zyxin bzw. Homologe oder Derivate dieser Proteine, welche miteinander wechselwirken, können deshalb unter anderem dazu verwendet werden, chemische Substanzen zu identifizieren, die als therapeutische Wirkstoffe zur Behandlung von Herz-Kreislaufkrankungen eingesetzt werden können.

15

Bekannt ist eine Methode zum Nachweis der Wechselwirkung zwischen einer EVH1-Bindedomäne wie beispielsweise in Zyxin enthalten mit einer EVH1-Domäne wie beispielsweise in VASP enthalten als radioaktiver Festphasen-Assay oder Overlay-Assay, wobei die Detektion von Zyxin nach Übertragung auf eine Festphase mit oder
20 ohne vorherige gelelektrophoretische Auftrennung durch radioaktiv markiertes VASP erfolgt. (Reinhard et al. PNAS 92, 7956 – 7960, 1995; Reinhard et al. FEBS Lett. 399, 103 – 107, 1996). Dieses Verfahren ist aufgrund seines Formats und seiner radioaktiven Detektion nicht für ein Nachweisverfahren mit hohem Probendurchsatz (High-Throughput Screening = HTS) geeignet. Die verwendete radioaktive
25 Markierungsmethode beschränkt die Anwendungsbreite, eine gelelektrophoretische Auftrennung ermöglicht wegen der aufwendigen Trennschritte keine Verwendung in automatisierten Screeningverfahren und erzeugt darüberhinaus Probleme hinsichtlich der Spezifität des Nachweises.

30 In WO 98/01755 werden dem VASP ähnliche Proteine (Mena, Evi) offenbart, die nicht aus Menschen stammen. Diese Proteine sind für den Aufbau eines Screeningmodells

weniger geeignet, da sie die nachzubildende Zielstruktur aus vorzugsweise humanen Komponenten für pharmazeutische Screeningzwecke nur unvollkommen wiedergeben.

Die Verwendung von Lanthanid-Chelaten als Fluoreszenzmarkierung und die
5 Verwendung zeitaufgelöster Fluoreszenzmessung mittels dieser
Fluoreszenzmarkierungen für beispielsweise HTS (High Througput Screening) wird
von Wallac Oy (Finnland) in WO 97/29373 und WO 98/15830 offenbart. Es liegen
bislang keine publizierten Ergebnisse vor zur Benutzung von
Fluoreszenzmarkierungen für die Analyse der Wechselwirkung zwischen einer EVH1-
10 Bindedomäne wie beispielsweise in Zyxin enthalten mit einer EVH1-Domäne wie
beispielsweise in VASP enthalten, die insbesondere für eine Verwendung in
Screeningverfahren geeignet wären.

Die Aufgabe wird daher in der Entwicklung eines Screeningverfahrens zur
15 Identifizierung von chemischen Verbindungen gesehen, welche die Wechselwirkung
zwischen einer EVH1-Bindedomäne wie beispielsweise in Zyxin enthalten oder eines
Proteins mit einer EVH1-Bindedomäne mit einer EVH1-Domäne wie beispielsweise in
VASP enthalten oder eines Proteins mit einer EVH1-Domäne modifizieren können.
Dieses Screeningverfahren sollte sich für hohen Durchsatz eignen sowie sicher,
20 schnell, mit hoher Spezifität und zuverlässig auch im automatisierten Betrieb
durchführbar sein. Darüberhinaus sollte in diesem Screeningverfahren eine für
pharmazeutisches Screening relevante Zielstruktur mit vorzugsweise humanen
Komponenten nachgebildet werden.

25 Die Erfindung betrifft ein Verfahren zur Identifizierung einer chemischen Verbindung,
welche eine Wechselwirkung zwischen einer EVH1-Bindedomäne oder einem Protein
mit einer EVH1-Bindedomäne und einer EVH1-Domäne oder einem Protein mit einer
EVH1-Domäne moduliert, enthaltend die Verfahrensschritte:

a) In-Kontakt-Bringen einer EVH1-Bindedomäne oder eines Proteins mit einer EVH1-
30 Bindedomäne mit einer EVH1-Domäne oder einem Protein mit einer EVH1-
Domäne in Gegenwart einer zu untersuchenden chemischen Verbindung; Unter
"In-Kontakt-Bringen" kann insbesondere die Abfolge der Schritte von Beschichten

- eines Trägers mit einer Domäne, Blocken/Waschen, Zugabe der anderen Domäne (mit oder ohne Testsubstanz), Inkubation bis einschließlich Waschen verstanden werden;
- b) Verwendung des Ansatzes gemäß a) zur Inkubation mit einem Antikörper, der
- 5 Bindespezifität für eine EVH1-Bindedomäne oder ein Protein mit einer EVH1-Bindedomäne oder für eine EVH1-Domäne oder für ein Protein mit einer EVH1-Domäne oder für ein mit diesen Domänen oder Proteinen fusioniertes oder gekoppeltes Antigen hat;
- c) Verwendung des Ansatzes gemäß b) zur Inkubation mit einem Antikörper, der den
- 10 Antikörper aus Ansatz b) spezifisch binden kann und an dem eine biochemisch oder physikalisch-chemisch nachweisbare Markierung angebracht ist;
- d) biochemischer oder physikalisch chemischer Nachweis der Markierung am Antikörper aus c) nach Inkubation gemäß c).
- 15 Die Modulation der Wechselwirkung kann zu einer Verstärkung der Bindung der Bindungspartner oder zu einer Abschwächung dieser Bindung führen. Die Verstärkung der Bindung der Bindungspartner zeigt sich beispielsweise an der Erhöhung der Affinität der beteiligten Domänen oder Proteine zueinander. Eine Erhöhung der Affinität gibt sich an der Erniedrigung der Affinitätskonstanten der beteiligten
- 20 Bindungspartner zu erkennen. Die Affinitätskonstanten sind mit Standardmethoden der Biochemie bestimmbar. Solche Methoden sind beispielsweise offenbart in „Pingoud, A., Urbanke, K., Arbeitsmethoden der Biochemie; 1997; Gruyter Lehrbuch“ oder in „Wilson, K., Goulding, K. H., Methoden der Biochemie; 1991; Thieme flexible Taschenbücher“. Das analoge gilt für die Abschwächung der Bindung der
- 25 Bindungspartner. Ein Protein mit einer EVH1-Bindedomäne ist ein Protein, welches eine EVH1-Bindedomäne enthält. Ebenso ist ein Protein mit einer EVH1-Domäne ein Protein, welches eine EVH1-Domäne enthält.

Das Verfahren zur Identifizierung einer chemischen Verbindung wie vorstehend

30 beschrieben erfolgt in einer bevorzugten Ausführungsform an einer Oberfläche, die aus einem festen Körper besteht. Es wird deshalb auch als Festphasen-Assay bezeichnet. Die Oberfläche des festen Körpers ist dabei in einer bevorzugten

Ausführungsform mit einer EVH1-Bindedomäne oder einem Protein mit einer EVH1-Bindedomäne beschichtet, welche mit einer EVH1-Domäne oder einem Protein mit einer EVH1-Domäne wechselwirkt. Die Oberfläche des festen Körpers ist in einer weiteren bevorzugten Ausführungsform mit einer EVH1-Domäne oder einem Protein mit einer EVH1-Domäne beschichtet, welche mit einer EVH1-Bindedomäne oder einem Protein mit einer EVH1-Bindedomäne wechselwirkt. Die so beschichteten Oberflächen können dann mit einem bezüglich der untersuchten Wechselwirkung inerten Reagenz oder Protein wie Rinderserumalbumin beschichtet werden. Auf diese so beschichtete Oberfläche wird die zu untersuchende chemische Verbindung
10 aufgegeben, wobei sie in einem wäßrigen oder organischen Lösungsmittel gelöst sein kann. Der feste Körper kann aus unterschiedlichem Material wie Kunststoff, Glas oder Metall bestehen. Bevorzugt besteht der feste Körper aus einem organischen Polymer. In einer weiteren Ausführungsform besteht der feste Körper aus einem chemischen Material, das unlöslich in oder widerstandsfähig gegen organische Lösungsmittel,
15 Säuren, Laugen oder wässrige Lösungen ist. Der feste Körper kann in unterschiedlicher Form aufgebaut sein. Beispielsweise kann er in einer bevorzugten Variante als Mikrotiterplatte sowie als Eppendorfgefäß, Glasröhrchen, Folie oder Mikrochip vorliegen. Der feste Körper kann aus nur einem oder mehreren Materialien oder Komponenten bestehen. Die Beschichtung der Oberfläche des festen Körpers mit
20 einer EVH1-Bindedomäne oder einem Protein mit einer EVH1-Bindedomäne, welche mit einer EVH1-Domäne oder einem Protein mit einer EVH1-Domäne wechselwirkt, kann direkt am festen Körper durchgeführt werden. Es ist im Falle aus unterschiedlichen Materialien zusammengesetzter fester Körper auch möglich ein Trägermaterial separat von einem festen Grundkörper zu beschichten und das
25 Trägermaterial nach der Beschichtung auf diesem festen Grundkörper aufzubringen, wobei dann das Trägermaterial und der feste Grundkörper zusammen den festen Körper bilden. Die Beschichtung der Oberfläche kann zuerst allein mit einer EVH1-Bindedomäne oder einem Protein mit einer EVH1-Bindedomäne erfolgen. Die Wechselwirkung mit einer EVH1-Domäne oder einem Protein mit einer EVH1-Domäne
30 wird dann hergestellt, indem in einem zweiten Schritt eine EVH1-Domäne oder ein Protein mit einer EVH1-Domäne zu der mit der EVH1-Bindedomäne oder einem Protein mit der EVH1-Bindedomäne beschichteten Oberfläche zugegeben wird. In

einer weiteren Ausführungsform wird die Oberfläche zuerst allein mit einer EVH1-Domäne oder einem Protein mit einer EVH1-Domäne beschichtet. Die Wechselwirkung mit einer EVH1-Bindedomäne oder einem Protein mit einer EVH1-Bindedomäne wird dann hergestellt, indem in einem zweiten Schritt eine EVH1-Bindedomäne oder ein Protein mit einer EVH1-Bindedomäne zu der mit der EVH1-Domäne oder einem Protein mit einer EVH1-Domäne beschichteten Oberfläche zugegeben wird. Zur Beschichtung der Oberfläche des festen Körpers mit einer EVH1-Bindedomäne, einem Protein mit einer EVH1-Bindedomäne, einer EVH1-Domäne oder einem Protein mit einer EVH1-Domäne wird die Oberfläche des festen Körpers mit einer dieser Domänen oder Proteine inkubiert. Ebenso werden zur Herstellung der Wechselwirkung zwischen einer EVH1-Bindedomäne oder einem Protein mit einer EVH1-Bindedomäne und einer EVH1-Domäne oder einem Protein mit einer EVH1-Domäne die eine Domäne oder ein Protein mit dieser Domäne mit der anderen Domäne oder einem Protein mit dieser anderen Domäne inkubiert. Der Überschuß an nicht-wechselwirkenden Domänen oder Proteinen mit den Domänen wird dann durch einen Waschschrift entfernt. Inkubieren bedeutet dabei, daß Proteine und Oberfläche über eine definierte Zeitspanne bei festgelegter Temperatur und bestimmten Puffer- und Ionenkonzentrationen miteinander in Kontakt gebracht werden. Die Proteine können dazu in gepufferten und mit chemischen Zusätzen versehenen wäßrigen Medien gelöst oder suspendiert vorliegen.

Als Protein mit einer EVH1-Bindedomäne wird bevorzugt Zyxin oder ein Zyxinderivat verwendet. Grundsätzlich kann für die Verfahren der vorliegenden Erfindung jedes Protein mit einer EVH1-Bindedomäne verwendet werden. Die EVH1-Bindedomäne kann auch physikalisch getrennt von anderen Bestandteilen eines Proteins als isolierte Domäne oder als EVH1-Bindepeptid eingesetzt werden. Als EVH1-Bindedomäne kann beispielsweise eine EVH1-Bindedomäne wie in Zyxin oder einem Zyxinderivat enthalten zur Anwendung kommen. Als Protein mit einer EVH1-Domäne wird bevorzugt VASP oder ein VASP-Derivat eingesetzt. Grundsätzlich kann jedes Protein mit einer EVH1-Domäne verwendet werden. Die EVH1-Domäne kann auch physikalisch getrennt von anderen Bestandteilen eines Proteins als isolierte Domäne

zur Anwendung kommen. Als EVH1-Domäne kann beispielsweise eine EVH1-Domäne wie in VASP enthalten verwendet werden.

Als VASP oder VASP-Derivat, Zyxin oder Zyxinderivat können grundsätzlich die
5 entsprechenden Proteine oder deren Teile aus jeder Spezies eingesetzt werden. Bevorzugt werden VASP und Zyxin oder Teile davon von Wirbeltieren wie der Maus und besonders bevorzugt die des Menschen verwendet. Aminosäuresequenzen für VASP sind offenbart bei Swissprot unter P50552 (Mensch) oder bei EMBL unter X98475.1 (Maus). Aminosäuresequenzen für Zyxin sind offenbart bei Swissprot unter
10 Q15942 (Mensch) oder unter Q62523 (Maus). Die benötigten Proteine können entweder aus entsprechenden Geweben oder Zellen von Wirbeltieren wie zum Beispiel Blutplättchen isoliert werden oder in Wirtszellen oder Mikroorganismen wie beispielsweise Insektenzellen oder E. coli Zellen rekombinant hergestellt und aufgereinigt werden. Rekombinantes VASP wird z.B. aus Insektenzellen mittels
15 Immunoaffinitätschromatographie aufgereinigt wie detailliert beschrieben in "Jarchau, T., Mund, T., Reinhard, M., U. Walter (1998) Purification and Assays of Vasodilator-Stimulated Phosphoprotein. Methods in Enzymology Vol. 298, 103 - 113". Die EVH1-Domäne von VASP oder die EVH1-Bindedomäne von Zyxin werden z.B. rekombinant aus E.coli als Glutathion-S-Transferase -Fusionsproteine gereinigt wie in "Current
20 Protocols in Molecular Biology, ed.: F.M. Ausubel, Wiley-Interscience (1987)" detailliert beschrieben.

Als Protein mit einer EVH1-Bindedomäne wird in einer bevorzugten Ausführungsform ein Zyxinderivat eingesetzt. Das Zyxinderivat besteht in einer bevorzugten
25 Ausführungsform aus einem Fusionsprotein aus der Glutathion-S-Transferase, an deren C- Terminus die ersten 142 Aminosäuren des N-Terminus des Zyxin fusioniert worden sind. Als Glutathion-S-Transferase kann grundsätzlich die Aminosäuresequenz jeder Spezies verwendet werden. Bevorzugt werden Sequenzen von Mensch, Maus, Ratte oder Schistosoma japonicum verwendet. Solche Sequenzen sind beispielsweise
30 in Swissprot offenbart unter P08263 (Mensch), P24472 (Maus), P04904 (Ratte). Als Fusionspartner für die ersten 142 C-terminalen Aminosäuren des Zyxin können neben

der Glutathion-S-Transferase auch beispielsweise Hexahistidin, Thioredoxin oder Maltosebindeprotein verwendet werden.

Ein Verfahren zur Identifizierung einer chemischen Verbindung, welche eine
5 Wechselwirkung zwischen einer EVH1-Bindedomäne oder einem Protein mit einer
EVH1-Bindedomäne und einer EVH1-Domäne oder einem Protein mit einer EVH1-
Domäne modulieren, wird in einer bevorzugten Ausführungsform mittels einer
Oberfläche durchgeführt, die aus einem festen Körper besteht, der mit Domänen bzw.
Proteinen wie vorstehend beschrieben beschichtet ist, und den Teil einer
10 Mikrotiterplatte bildet.

Zur Durchführung des Verfahrens der vorliegenden Erfindung zum spezifischen
Nachweis der EVH1-Bindedomäne, einem Protein mit einer EVH1-Bindedomäne, der
EVH1-Domäne oder einem Protein mit einer EVH1-Domäne können monoklonale oder
15 polyklonale Antikörper verwendet werden. Diese monoklonalen oder polyklonalen
Antikörper müssen Bindespezifität für eine EVH1-Bindedomäne, ein Protein mit einer
EVH1-Bindedomäne, eine EVH1-Domäne, ein Protein mit einer EVH1-Domäne oder
ein mit diesen Domänen oder Proteinen fusioniertes oder chemisch gekoppeltes
Antigen aufweisen.

20

Zur erfindungsgemäßen Durchführung des Verfahrens wird in einer bevorzugten
Ausführungsform ein monoklonaler Antikörper verwendet, der Bindespezifität für VASP
oder Zyxin hat. Solch ein Antikörper kann mittels Hybridomzellen synthetisiert und
anschließend konzentriert und gereinigt werden. Die Kultivierung von Hybridomzellen,
25 die Produktion von Antikörpern mit Hilfe von Hybridomzellen, deren Reinigung und
Konzentrierung erfolgt nach Standardmethoden wie beispielsweise in „Current
Protocols in Immunology, ed.: J. E. Coligan, Wiley-Interscience (1991)“ beschrieben.
Ebenso sind aus diesem Lehrbuch Verfahren zu entnehmen, die es ermöglichen, die
Bindespezifität für ein Antigen zu bestimmen. Als Antigen kann für die Zwecke der
30 Verfahren der vorliegenden Erfindung eine EVH1-Bindedomäne oder ein Protein mit
einer EVH1-Bindedomäne beispielsweise Zyxin oder ein Zyxinderivat sowie eine
EVH1-Domäne oder ein Protein mit einer EVH1-Domäne beispielsweise VASP oder

- ein VASP-Derivat oder ein mit diesen Domänen oder Proteinen fusioniertes Antigen wie beispielsweise Glutathion-S-Transferase, Hexahistidin, Thioredoxin oder Maltosebindeprotein oder ein chemisch gekoppeltes Antigen eingesetzt werden. Zur erfindungsgemäßen Durchführung des Verfahrens wird in einer weiteren bevorzugten
- 5 Ausführungsform ein polyklonaler Antikörper verwendet, der Bindspezifität für eine EVH1-Bindedomäne, ein Protein mit einer EVH1-Bindedomäne wie beispielsweise Zyxin oder ein Zyxinderivat, eine EVH1-Domäne oder ein Protein mit einer EVH1-Domäne wie beispielsweise VASP oder ein VASP-Derivat oder ein mit diesen Domänen oder Proteinen fusioniertes Antigen wie beispielsweise Glutathion-S-
- 10 Transferase, Hexahistidin, Thioredoxin oder Maltosebindeprotein oder ein chemisch gekoppeltes Antigen hat. Herstellung, Reinigung, Test und Verwendung polyklonaler Antikörper ist in „Current Protocols in Immunology, ed.: J. E. Coligan, Wiley-Interscience (1991)“ detailliert beschrieben.
- 15 In einer bevorzugten Ausführungsform des Verfahrens der vorliegenden Erfindung wird als Antikörper mit Bindspezifität für VASP der monoklonale Antikörper mAB IE245 und in einer weiteren bevorzugten Ausführungsform der monoklonale Antikörper mAB IE273 verwendet.
- 20 Die Antikörper, welche Antikörper des Verfahrens der vorliegenden Erfindung mit Bindspezifität für eine EVH1-Bindedomäne, ein Protein mit einer EVH1-Bindedomäne, eine EVH1-Domäne, ein Protein mit einer EVH1-Domäne oder ein mit diesen Domänen oder Proteinen fusioniertes oder chemisch gekoppeltes Antigen spezifisch binden, können mit einer biochemisch oder physikalisch chemisch
- 25 nachweisbaren Markierung versehen sein. Eine biochemisch oder physikalisch chemisch nachweisbare Markierung ist beispielsweise ein Enzym, ein radioaktives Isotop oder eine Fluoreszenzmarkierung. In einer bevorzugten Ausführungsform wird als biochemisch oder physikalisch chemisch nachweisbare Markierung insbesondere alkalische Phosphatase oder β -Galaktosidase, in einer weiteren bevorzugten
- 30 Ausführungsform wird als biochemisch oder physikalisch chemisch nachweisbare Markierung ein Isotop wie beispielsweise ein radioaktives Isotop und in einer weiteren bevorzugten Ausführungsform wird als biochemisch oder physikalisch chemisch

nachweisbare Markierung eine Fluoreszenzmarkierung insbesondere ein Lanthanidkomplex wie ein Europium-Komplex verwendet.

Ein wie vorstehend beschriebenes Verfahren dieser Erfindung kann in einer bevorzugten Ausführungsform zur Identifizierung eines Arzneimittels verwendet werden. Solche Arzneimittel können unter anderem zur Behandlung von Herz-Kreislaufkrankungen, inflammatorischen Erkrankungen, Erkrankungen der Blutgefäße oder bei neoplastischen Zell- und Gewebsveränderungen wie beispielsweise Krebs verwendet werden.

10

Die Erfindung betrifft weiterhin eine chemische Verbindung zur Modulierung der Wechselwirkung zwischen einer EVH1-Bindedomäne oder einem Protein mit einer EVH1-Bindedomäne und einer EVH1-Domäne oder einem Protein mit einer EVH1-Domäne, welche über ein Verfahren der vorliegenden Erfindung, wie vorstehend beschrieben, identifiziert wurde. Solche chemischen Verbindungen sind bevorzugt Peptide insbesondere mit den Sequenzen FPPPP oder WPPPP oder deren chemische Derivate und prolinreichen Homologe. Solche chemischen Verbindungen können beispielsweise Arzneimittel zur Behandlung von Herz- Kreislaufkrankungen, inflammatorischen Erkrankungen, Erkrankungen der Blutgefäße oder von neoplastischen Zell- und Gewebsveränderungen wie beispielsweise Krebs sein.

Die Erfindung bezieht sich in einer bevorzugten Ausführungsform auf den monoklonalen Antikörper mAB IE245, der Bindspezifität für VASP hat, sowie Hybridomazellen, welche den monoklonalen Antikörper mAB IE245 produzieren können. In einer weiteren bevorzugten Ausführungsform bestehen die Hybridomazellen, welche den monoklonalen Antikörper mABIE245 produzieren können, aus dem Stamm DSM ACC2444. Die Erfindung bezieht sich in einer weiterhin bevorzugten Ausführungsform auf den monoklonalen Antikörper mAB IE273, der Bindspezifität für VASP hat, sowie auf Hybridomazellen, welche den monoklonalen Antikörper mAB IE273 produzieren können. In einer weiteren bevorzugten Ausführungsform bestehen die Hybridomazellen, welche den monoklonalen Antikörper mABIE273 produzieren können, aus dem Stamm DSM ACC2445.

Die Hybridomazellen DSM ACC2444 und DSM ACC2445 sind bei der Deutschen Stammsammlung für Mikroorganismen hinterlegt.

Die Erfindung betrifft weiterhin eine Oberfläche, die aus einem festen Körper besteht, 5 und mit einer EVH1-Bindedomäne oder einem Protein mit einer EVH1-Bindedomäne oder mit einer EVH1-Domäne oder einem Protein mit einer EVH1-Domäne beschichtet ist.

Das Protein mit einer EVH1-Bindedomäne besteht dabei bevorzugt aus Zyxin oder 10 einem Zyxinderivat. Das Zyxinderivat wird weiterhin bevorzugt aus einem Fusionsprotein aus Zyxin oder einem Zyxinfragment und einer Glutathion-S-Transferase oder aus Zyxin oder einem Zyxinfragment und einem Maltose-Bindeprotein oder aus Zyxin oder einem Zyxinfragment und Hexahistidin gebildet. Das Protein, welches eine EVH1-Domäne hat, ist bevorzugt VASP oder ein VASP-Derivat 15 oder ein Fusionsprotein aus VASP oder einem VASP-Fragment und Glutathion-S-Transferase oder Maltose-Bindeprotein oder Hexahistidin.

In einer bevorzugten Ausführungsform wechselwirkt die EVH1-Bindedomäne oder das Protein mit einer EVH1-Bindedomäne mit einer EVH1-Domäne oder einem Protein mit einer EVH1-Domäne. Zur Herstellung dieser Wechselwirkung werden bezüglich der 20 Proteine mit einer EVH1-Bindedomäne bevorzugt Zyxin oder ein Zyxinderivat beispielsweise gebildet als Fusionsprotein zwischen Zyxin oder einem Zyxinfragment und Glutathion-S-Transferase oder Zyxin oder einem Zyxinfragment und Maltose-Bindeprotein verwendet werden. Bezüglich der Proteine mit einer EVH1-Domäne wird bevorzugt VASP oder ein VASP-Derivat oder ein Fusionsprotein aus VASP oder 25 einem VASP-Fragment und Glutathion-S-Transferase oder Maltose-Bindeprotein eingesetzt.

Als VASP oder VASP-Derivat, Zyxin oder Zyxinderivat können grundsätzlich die entsprechenden Proteine oder deren Teile aus jeder Spezies eingesetzt werden. Bevorzugt werden VASP und Zyxin oder Teile davon von Wirbeltieren wie der Maus 30 und besonders bevorzugt die des Menschen verwendet. Aminosäuresequenzen für VASP sind offenbart bei Swissprot unter P50552 (Mensch) oder bei EMBL unter

X98475.1 (Maus). Aminosäuresequenzen für Zyxin sind offenbart bei Swissprot unter Q15942 (Mensch) oder unter Q62523 (Maus).

Die Erfindung betrifft darüberhinaus eine Mikrotiterplatte, welche eine Oberfläche
5 enthält, die mit einer EVH1-Bindedomäne oder einem Protein mit einer EVH1-Bindedomäne und einer EVH1-Domäne oder einem Protein mit einer EVH1-Domäne insbesondere mit Zyxin, einem Zyxinderivat oder VASP oder einem VASP-Derivat beschichtet ist. Die Mikrotiterplatte kann dabei unterschiedlich viele Gefäße umfassen. Beispielsweise kann die Mikrotiterplatte 3, 6, 12, 24, 48, 96, 192, 384, 768, 1536, 3072
10 oder mehr Gefäße (wells) enthalten. In einer bevorzugten Ausführungsform enthält die Mikrotiterplatte 384 Gefäße, in einer besonders bevorzugten Ausführungsform enthält sie 768 Gefäße und in einer ganz besonders bevorzugten Ausführungsform enthält die Mikrotiterplatte 1536 Gefäße. Die Oberfläche der vorliegenden Erfindung in den beschriebenen Ausführungsformen kann darüberhinaus Bestandteil von anderen
15 Geräten, Gefäßen oder Vorrichtungen wie beispielsweise von Eppendorfgefäßen, Röhrchen aus unterschiedlichem Material insbesondere Kunststoff oder Glas, von chipartigen Vorrichtungen oder anderen Geräten, Vorrichtungen oder Behältern sein.

Die Erfindung betrifft weiterhin ein Verfahren zur Identifizierung von chemischen
20 Verbindungen, welche eine Wechselwirkung zwischen einer EVH1-Bindedomäne oder einem Protein mit einer EVH1-Bindedomäne und einer EVH1-Domäne oder einem Protein mit einer EVH1-Domäne modulieren können, enthaltend die Verfahrensschritte:

- a) In-Kontakt-Bringen einer EVH1-Bindedomäne oder eines Protein mit einer
25 EVH1-Bindedomäne mit einer EVH1-Domäne oder einem Protein mit einer EVH1-Domäne in Gegenwart mindestens einer zu untersuchenden chemischen Verbindung, wobei an die EVH1-Bindedomäne oder ein Protein mit einer EVH1-Bindedomäne und/oder die EVH1-Domäne oder ein Protein mit einer EVH1-Domäne jeweils ein Fluoreszenzfarbstoff gekoppelt ist, der einen
30 Energietransfer zwischen einer EVH1-Bindedomäne oder einem Protein mit einer EVH1-Bindedomäne und einer EVH1-Domäne oder einem Protein mit einer EVH1-Domäne ermöglicht;

b) Spektroskopische Bestimmung nach Inkubation gemäß a).

In diesem Verfahren werden als Fluoreszenzfarbstoff bevorzugt APC, Cy5, oder ein Lanthanidkomplex hierbei insbesondere ein Europium-Komplex verwendet.

- 5 Als Protein mit einer EVH1-Domäne in diesem Verfahren wird bevorzugt VASP oder ein VASP-Derivat verwendet. Als Protein mit der EVH1-Bindedomäne wird bevorzugt Zyxin oder ein Zyxinderivat verwendet. In einer weiteren bevorzugten Ausführungsform wird als Zyxinderivat ein Fusionsprotein von Zyxin oder einem Zyxinfragment mit einer Glutathion-S-Transferase oder von Zyxin oder einem Zyxinfragment mit Maltose-
- 10 Bindeprotein eingesetzt.

Die Wechselwirkung zwischen einer EVH1-Domäne oder einem Protein mit einer EVH1-Domäne insbesondere VASP oder einem VASP-Derivat und einer EVH1-Bindedomäne oder einem Protein mit einer EVH1-Bindedomäne insbesondere Zyxin oder einem Zyxinderivat kann spektroskopisch bestimmt werden, wenn man an eine

15 EVH1-Domäne oder ein Protein mit einer EVH1-Domäne insbesondere VASP oder ein VASP-Derivat und an eine EVH1-Bindedomäne oder ein Protein mit einer EVH1-Bindedomäne insbesondere Zyxin oder ein Zyxinderivat bestimmte Fluoreszenzfarbstoffe koppelt. Diese Fluoreszenzfarbstoffe ermöglichen einen Energietransfer, wenn sie durch Komplexbildung der an sie gekoppelten Proteine in

20 ausreichend enge räumliche Nachbarschaft gebracht werden. Als Fluoreszenzfarbstoffe können Verbindungen eingesetzt werden, die komplementär als Energiedonor und Energieakzeptor wirken. Der Energiedonor wird mittels einer elektromagnetischen Strahlung bestimmter Wellenlänge in einen angeregten Zustand versetzt. Die Anregungsenergie kann strahlungslos auf den Energieakzeptor

25 übertragen werden, wenn sich dieser in enger Nachbarschaft zum Energiedonor aufhält. Der Energieakzeptor wird unter Abgabe einer elektromagnetischen Strahlung bestimmter Wellenlänge wieder in seinen Grundzustand versetzt. Diese Energieabgabe findet bei einer anderen Wellenlänge statt als die Anregung des Energiedonors. Bei entsprechender Wahl von Energiedonor und Energieakzeptor

30 erfolgt der Energietransfer bei spektroskopisch bestimmbar Wellenlängen elektromagnetischer Strahlung, bevorzugt im Bereich des sichtbaren Lichts. Koppelt man Energiedonor und Energieakzeptor an eine EVH1-Domäne oder ein Protein mit

einer EVH1-Domäne insbesondere VASP oder ein VASP-Derivat und eine EVH1-Bindedomäne oder ein Protein mit einer EVH1-Bindedomäne insbesondere Zyxin oder ein Zyxinderivat, dann kann die Wechselwirkung dieser Proteine oder Proteinderivate direkt spektroskopisch bestimmt werden. Eine zu untersuchende chemische

5 Verbindung, welche die Wechselwirkung einer EVH1-Domäne oder einem Protein mit einer EVH1-Domäne und einer EVH1-Bindedomäne oder einem Protein mit einer EVH1-Bindedomäne modifiziert, gibt sich durch eine spektroskopisch nachweisbare Änderung im Energietransfer zu erkennen, sobald sie mit den wechselwirkenden Proteinen in Kontakt gebracht wird. Als Energiedonor können bestimmte

10 Fluoreszenzfarbstoffe wie beispielsweise Lanthanid-Komplexe insbesondere Europium-Komplexe verwendet werden. Als Energieakzeptor können bestimmte Fluoreszenzfarbstoffe wie APC oder Cy5 eingesetzt werden. Jeder Energiedonor oder Energieakzeptor kann an die EVH1-Domäne oder ein Protein mit einer EVH1-Domäne insbesondere VASP oder ein VASP-Derivat oder eine EVH1-Bindedomäne oder ein

15 Protein mit einer EVH1-Bindedomäne insbesondere Zyxin oder Zyxinderivat gekoppelt sein. Bei der Durchführung des Verfahrens der vorliegenden Erfindung ist darauf zu achten, daß die wechselwirkenden Domänen bzw. die wechselwirkenden Proteine, welche die unterschiedlichen Domänen enthalten, jeweils komplementär entweder mit Energiedonor oder Energieakzeptor versehen sind. Die spektroskopische Bestimmung

20 der Wechselwirkung erfordert, daß Energiedonor und Energieakzeptor gleichzeitig in dem die Wechselwirkung vermittelnden molekularen Komplex vorhanden sind. Die Kopplung von Energiedonor oder Energieakzeptor kann jeweils direkt über kovalente Bindungen oder indirekt vermittelt über Antikörper oder Biotin-Streptavidin hergestellt werden. Solche Antikörper sind kommerziell erhältlich.

25

Als VASP oder VASP-Derivat, Zyxin oder Zyxinderivat können grundsätzlich die entsprechenden Proteine oder deren Teile aus jeder Spezies eingesetzt werden. Bevorzugt werden VASP und Zyxin oder Teile davon von Wirbeltieren wie der Maus und besonders bevorzugt die des Menschen verwendet. Aminosäuresequenzen für

30 VASP sind offenbart bei Swissprot unter P50552 (Mensch) oder bei EMBL unter X98475.1 (Maus). Aminosäuresequenzen für Zyxin sind offenbart bei Swissprot unter Q15942 (Mensch) oder unter Q62523 (Maus).

Die Erfindung bezieht sich auf ein Verfahren zur Herstellung einer pharmazeutischen Zubereitung zur Modulierung der Wechselwirkung zwischen einer EVH1-

Bindedomäne oder einem Protein mit einer EVH-1 Bindedomäne und einer EVH-1

5 Domäne oder einem Protein mit einer EVH1-Domäne, wobei eine Verbindung mittels eines Verfahrens gemäß einem oder mehreren dieser Erfindung identifiziert wird, mit pharmazeutischen Hilfsstoffen und/oder pharmazeutischen Trägern versetzt wird und anschließend gegebenenfalls in eine pharmazeutische Darreichungsform gebracht wird.

10

Beispiele

Beispiel 1: Bestimmung der Wechselwirkung von VASP und Zyxin oder einem Zyxinderivat mittels eines Festphasen-Assays (DELFA)

15

Beim Festphasen-Assay wird ein Bindungspartner (VASP oder Zyxin) auf der Oberfläche einer Mikrotiterplatte (MTP) immobilisiert (=Beschichtung). Nach dem Blocken der ungesättigten Bindungsstellen auf der Plastikoberfläche wird mit dem jeweiligen anderen Bindungspartner inkubiert. In einem Waschschrift wird das

20 überschüssige, nicht gebundene Protein nach der Inkubation entfernt. Durch geeignete Antikörper kann jetzt das spezifisch gebundene Protein detektiert und quantifiziert werden. Hierbei kann die Verwendung von Lanthanid-Chelaten als Fluoreszenz-Markierung für die Antikörper und die Messung der zeitaufgelösten Fluoreszenz erheblich zur Verbesserung des Signal-Rausch-Verhältnisses (S/N)
25 beitragen.

Für den Festphasenassay wurden zuerst die besten Beschichtungs- und Inkubationsbedingungen charakterisiert. Es stellte sich heraus, daß sich die Zyxin-Komponente (GST-Zyxin(1-142) oder Zyxin(1-142)) zum Beschichten der Mikrotiterplatten (MTP)

30 sehr gut eignet. Für die Detektion des spezifisch an das immobilisierte Zyxin gebundenen VASP eignen sich monoklonale Antikörper gegen VASP, welche

ihrerseits mittels Lanthanid-markierten Antikörpern gegen Maus IgGs nachgewiesen werden können (Wallac: DELFIA anti-Mouse-Eu(N1)).

Das gegenwärtige Assay-Protokoll besteht aus 5 Inkubationsritten und 3

5 Waschsritten:

1. Inkubation der leeren MTPs mit GST-Zyxin(1-142) (Beschichtung)
2. Blocken mit BSA (Rinderserumalbumin)
3. Waschen mit PBS (Waschpuffer)
4. Inkubation mit VASP (Ligand) (mit und ohne Testsubstanzen)
- 10 5. Waschen mit PBS
6. Inkubation mit Detektionsmix: α -VASP (= monoklonaler anti-VASP Antikörper) + α -Maus-Eu (= Europium markierter anti-Maus Antikörper von Wallac)
7. Waschen mit DELFIA-Wash-Lösung
8. Freisetzung des gebundenen Lanthanidkomplexes und fluorimetrische
- 15 Messung.

Bei der Wahl der Reagenzien/Proteine stellte sich heraus, daß das rekombinante humane VASP Protein mit der vollständigen Aminosäuresequenz gewonnen aus Insektenzellen (baculo VASP) mit signifikant besserem Signal-Rausch-Verhältnis
20 (S/N) funktionierte als VASP oder VASP-Domänen, welche in in E. coli exprimiert und daraus gewonnen wurden.

Beispiel 2: Eigenschaften des VASP Zyxin Festphasen (DELFIA) Assay:

25 Die optimalen Bedingungen für Beschichtung (GST-Zyxin(1-142)) und Liganden-Inkubation (VASP) wurden durch Titration der Reagenzien ermittelt. Die Beschichtung der MTPs mit GST-Zyxin(1-142) ist bei einer Konzentration von 5 μ g/ml der Beschichtungslösung in der Sättigung (Fig. 1a). Das eingesetzte Volumen pro Well hängt vom gewählten MTP-Format ab (50 μ l oder 100 μ l bei 96-well Platten, 20 μ l bei
30 384-well Platten). Für die Inkubation mit VASP als Ligand ergab sich ebenfalls eine Konzentration von 5 μ g/ml als Wert mit dem besten S/N (Fig. 1b).

Beispiel 3: Detektion

Bei der weiteren Optimierung des Assays stellte man fest, daß die Wahl des monoklonalen Antikörpers für die Detektion des gebundenen VASPs von großer Bedeutung ist. Im Vergleich mit dem anti-VASP Antikörper mAB IE245 erreicht man mit dem Antikörper IE273 ein S/N, das um ca. eine Größenordnung besser ist. Die Optimierung der einzusetzenden Menge an IE273 Antikörper zeigte, daß diese abhängig von der vorher verwendeten Menge an VASP ist. Ein Optimum für S/N ergab sich für ein molares Verhältnis von IE273 zu VASP bei einem Wert von 1:16 (massenmäßiges Verhältnis von 1:4). Bei Inkubation mit einer Konzentration von 5 µg/ml VASP ergab sich das beste Signal bei einer Detektion mit 1,25 µg/ml IE273. Dies ist auch von Bedeutung für die Optimierung bzw. Reduzierung der Waschschr

15

Beispiel 4: Kompetitionsversuche mit peptidergen Inhibitoren

Für die VASP-Zyxin-Wechselwirkung existieren bislang noch keine bekannten nicht-peptidergen Inhibitoren. Um die Wirkung potenzieller Inhibitoren zu simulieren, wurden Inhibitionsversuche mit kompetierenden Peptiden unternommen, die das VASP-Bindungsmotiv von Zyxin (FPPPP) enthielten. In früheren Arbeiten (Niebuhr et al. (1997) EMBO J. 16, 5433) wurden Mutationen in diesem Motiv und ihre Wirkung auf die Inhibition der VASP-ActA-Wechselwirkung untersucht, die ebenfalls auf der Bindung von VASP an FPPPP-Motive in ActA beruht. Dabei wurde gezeigt, daß im Vergleich zur Wildtyp-Sequenz FPPPP Peptide mit einem APPPP-Motiv eine deutlich schlechtere Inhibition zeigten, wogegen Peptide mit einem WPPPP-Motiv sogar eine bessere Inhibition als das Wildtyp-Motiv aufwiesen (Inhibition: WPPPP > FPPPP > APPPP). Zyxinpeptide mit entsprechenden Mutationen wurden zur Konkurrenz der VASP-Zyxin-Wechselwirkung eingesetzt. Dabei ergab sich die gleiche Reihenfolge in bezug auf die apparenten Inhibitionskonstanten der Peptide wie für die VASP-ActA-Wechselwirkung (Fig. 2): WPPPP > FPPPP > APPPP.

20

25

30

Dies zeigt, daß es möglich ist, durch kompetierende Substanzen, und möglicherweise auch durch anders geartete Inhibitoren, die VASP-Zyxin Wechselwirkung zu beeinflussen und dies durch den beschriebenen Assay zu detektieren.

5 Beispiel 5: Lösungsmittel Toleranzen

Um den Einsatz des Assays im HTS zu gewährleisten, muß sichergestellt sein, daß der Assay über eine ausreichende Toleranz gegenüber den Standardlösungsmitteln der Substanzbibliotheken verfügt. In der Regel sind diese Dimethylsulfoxid (DMSO) und Methanol. Um die Toleranz des Assays gegenüber diesen beiden Lösungsmitteln zu testen, wurde bei konstanter Beschichtung und konstanter Ligandenkonzentration (VASP) mit steigenden Konzentrationen Methanol und DMSO inkubiert. Es zeigte sich, daß Methanol bis zu einer Konzentration von 25% praktisch keinen Einfluß auf den Assay hat (Fig. 3a), während das Signal bei 25% DMSO fast um die Hälfte reduziert wurde (Fig. 3b). Bei im Screening gebräuchlichen DMSO-Konzentrationen von 1-5% betrug die Verringerung des Signals jedoch nur bis zu 15%, was im Rahmen eines HTS-Assay tragbar ist.

Beispiel 6: Miniaturisierung

20

In der oben beschriebenen Weise wurden die Assays zunächst in 96-well Platten durchgeführt. Dabei konnte das Assayvolumen von 100 µl pro Well auf 50 µl reduziert werden. Zur weiteren Miniaturisierung des Assays für den Einsatz im HTS wurde der Assay auf 384-well Platten angepaßt. Dazu wurden 384-well Platten verschiedener Hersteller mit unterschiedlichen Oberflächen und Farben getestet. Unter den getesteten Platten ergaben sich die besten Werte für die 384-well Platten von Greiner. Dabei verhielten sich die weißen und schwarzen Platten sehr ähnlich, auch wenn die schwarzen Platten einen besonders niedrigen Hintergrund hatten. Unter den getesteten Oberflächen (low binding, untreated, high-binding) wurden die besten Ergebnisse mit den unbehandelten Oberflächen (untreated) erzielt.

30

Durch die Verwendung von 384-well Platten konnte das Assayvolumen weiter auf 20 µl pro Well reduziert werden. Erfreulicherweise ergab sich als zusätzlicher Effekt der Miniaturisierung eine weitere Verbesserung des S/N auf ca. 100.

5 Beispiel 7: Übersicht: Assay Protokoll (für 384-well Platten)

1.	Beschichtung der Platten (Coating):	20 µl	1 hr RT
	GST-Zyxin(1-142) in PBS 5 µg/ml		
2.	Blocken	100 µl	1 hr RT
	15% BSA in PBS		
3.	Waschen	3x 100 µl	
	PBS		
4.	Inkubation mit VASP	20 µl	1 hr RT
	VASP in DELFIA-Assay Puffer 5 µg/ml		
5.	Waschen	3x 100 µl	
	PBS		
6.	Detektion	20 µl	1 hr RT

	α -VASP (IE273): 1,25 μ g/ml α -Maus-Eu(N1): 50 ng/ml in DELFIA-Assay Puffer
7	Waschen 3x 100 μ l DELFIA-Wasch-Puffer
8	Enhancement 50 μ l 15 min DELFIA-Enhancement Lösung

Beispiel 8: Homogener Assay mittels Energietransfer bei fluoreszenzmarkiertem VASP und Zyxin oder einem Zyxinderivat:

5

Für den homogenen Assay wurde humanes VASP mit vollständiger Aminosäuresequenz, isoliert aus Insektenzellen (SF21), eingesetzt und über spezifische Antikörper indirekt mit einer Fluoreszenzmarkierung versehen. Als Bindungspartner wurden zunächst Peptide mit dem VASP-Bindungsmotiv FPPPP verwendet, die über ein gekoppeltes Biotin ebenfalls an den anderen Fluorophor für den Energietransfer (Streptavidin-APC) binden konnten. In folgenden Experimenten wurde dann jedoch dazu übergegangen, anstelle von Peptiden ein GST-Fusionsprotein mit dem N-Terminus von Zyxin (GST-Zyxin(1-142)), welches mehrere dieser FPPPP-Motive enthält, als Bindungspartner für VASP zu verwenden. Hierzu wurde GST-Zyxin(1-142) in E. coli exprimiert, aufgereinigt und mit Biotinen kovalent modifiziert. Damit kann ein Energietransfer zwischen den fluoreszenzmarkierten Bindungspartnern gemessen werden.

Beispiel 9: Beschreibung der Abbildungen

Fig. 1a: Beschichtung der MTPs mit GST-Zyxin(1-142): Bei einer Konzentration von 5 µg/ml der Beschichtungslösung ist Sättigung erreicht.

5

Fig. 1b: Beschichtung der MTPs mit VASP: Für die Inkubation mit VASP als Ligand ergab sich eine Konzentration von 5 µg/ml als Wert mit dem besten S/N.

10 Fig.2: Inhibition der VASP-Zyxin-Wechselwirkung durch kompetierende Peptide, die das APPPP-, FPPPP-, oder WPPPP-Motiv enthalten.

Fig. 3a: Feststellung der Toleranz gegen Methanol; Inkubation mit steigenden Konzentrationen von Methanol bei konstanter Beschichtung und konstanter
15 Ligandenkonzentration (VASP); Methanol zeigt bis zu einer Konzentration von 25% praktisch keinen Einfluß auf den Assay.

Fig. 3b: Feststellung der Toleranz gegen DMSO; Inkubation mit steigenden Konzentrationen von DMSO bei konstanter Beschichtung und konstanter
20 Ligandenkonzentration (VASP); DMSO bewirkt bei 25% eine Reduktion des Signals um annähernd die Hälfte.

Patentansprüche

1. Verfahren zur Identifizierung einer chemischen Verbindung, welche eine
5 Wechselwirkung zwischen einer EVH1-Bindedomäne oder einem Protein mit einer
EVH1-Bindedomäne und einer EVH1-Domäne oder einem Protein mit einer EVH1-
Domäne moduliert, enthaltend die Verfahrensschritte:
 - a) In-Kontakt-Bringen einer EVH1-Bindedomäne oder eines Proteins mit einer EVH1-
Bindedomäne, welches mit einer EVH1-Domäne oder einem Protein mit einer
10 EVH1-Domäne wechselwirkt, mit einer zu untersuchenden chemischen
Verbindung;
 - b) Verwendung des Ansatzes gemäß a) zur Inkubation mit einem Antikörper, der
Bindespezifität für eine EVH1-Bindedomäne oder ein Protein mit einer EVH1-
Bindedomäne oder eine EVH1-Domäne oder ein Protein mit einer EVH1-Domäne
15 oder ein mit diesen Domänen oder Proteinen fusioniertes oder chemisch
gekoppeltes Antigen hat;
 - c) Verwendung des Ansatzes gemäß b) zur Inkubation mit einem Antikörper, der den
Antikörper aus Ansatz b) spezifisch binden kann und an dem eine biochemisch
oder physikalisch chemisch nachweisbare Markierung angebracht ist;
 - 20 d) biochemischer oder physikalisch chemischer Nachweis der Markierung am
Antikörper aus c) nach Inkubation gemäß c).
2. Verfahren nach Anspruch 1, wobei das In-Kontakt-Bringen mit einer chemischen
Verbindung gemäß Verfahrensschritt a) an einer Oberfläche erfolgt, die aus einem
25 festen Körper besteht und mit einer EVH1-Bindedomäne oder einem Protein mit
einer EVH1-Bindedomäne beschichtet ist, wobei diese EVH1-Bindedomäne bzw.
das Protein mit der EVH1-Bindedomäne mit einer EVH1-Domäne oder einem
Protein mit einer EVH1-Domäne wechselwirkt.
- 30 3. Verfahren nach Anspruch 1, wobei das In-Kontakt-Bringen mit einer
chemischen Verbindung gemäß Verfahrensschritt a) an einer Oberfläche erfolgt,
die aus einem festen Körper besteht und mit einer EVH1 Domäne oder einem

Protein mit einer EVH1-Domäne beschichtet ist, wobei diese EVH1-Domäne oder das Protein mit der EVH1-Domäne mit einer EVH1-Bindedomäne oder einem Protein mit einer EVH1-Bindedomäne wechselwirkt.

5 4. Verfahren nach Anspruch 2 oder 3, wobei die Oberfläche, die aus einem festen Körper besteht, den Teil einer Mikrotiterplatte bildet.

5. Verfahren nach einem oder mehreren der Ansprüche 1 bis 4, wobei als Protein mit einer EVH1-Domäne VASP oder ein VASP-Derivat verwendet wird.

10

6. Verfahren nach Anspruch 5, wobei das VASP eines Wirbeltiers verwendet wird.

7. Verfahren nach Anspruch 5, wobei humanes VASP verwendet wird

15 8. Verfahren nach einem oder mehreren der Ansprüche 1 bis 7, wobei als Protein mit einer EVH1-Bindedomäne ein Zyxin oder ein Zyxinderivat verwendet wird.

9. Verfahren nach Anspruch 8, wobei als Zyxinderivat ein Fusionsprotein verwendet wird, welches aus Zyxin oder einem Zyxinfragment und einer Glutathion S-

20 Transferase oder aus Zyxin oder einem Zyxinfragment und einem Maltose-Bindeprotein besteht.

10. Verfahren nach Anspruch 8 oder 9, wobei das Zyxin eines Wirbeltiers verwendet wird.

25

11. Verfahren nach Anspruch 8 oder 9, wobei humanes Zyxin verwendet wird.

12. Verfahren nach einem oder mehreren der Ansprüche 1 bis 11, wobei zur Inkubation gemäß Verfahrensschritt b) ein polyklonaler Antikörper verwendet
30 wird.

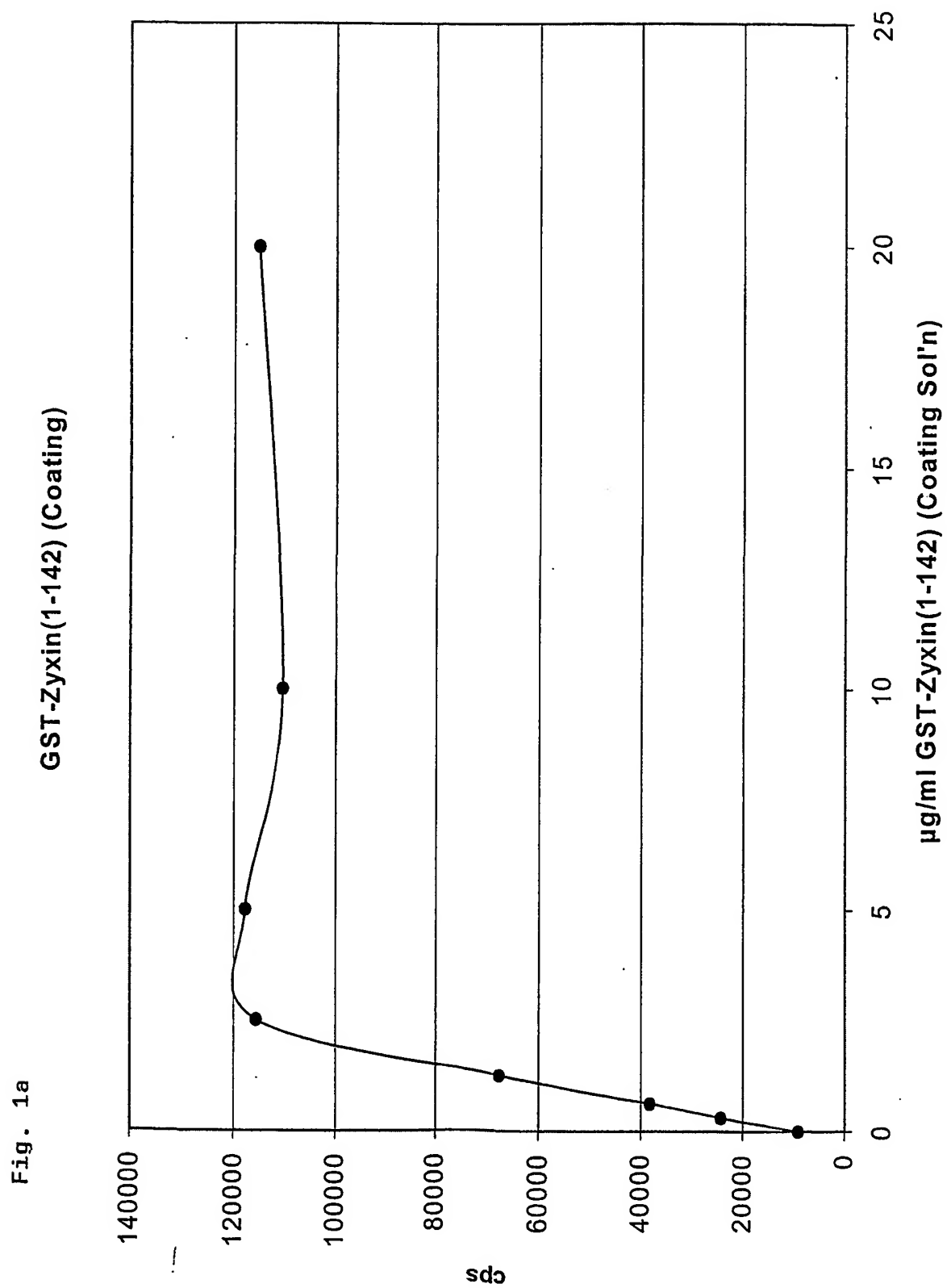
13. Verfahren nach einem oder mehreren der Ansprüche 1 bis 11, wobei zur Inkubation gemäß Verfahrensschritt b) ein monoklonaler Antikörper verwendet wird, der mittels Hybridomazellen synthetisiert wird.
- 5 14. Verfahren nach Anspruch 13, wobei als monoklonaler Antikörper mAB IE245 verwendet wird.
15. Verfahren nach Anspruch 13, wobei als monoklonaler Antikörper mAB IE273 verwendet wird.
- 10 16. Verfahren nach einem oder mehreren der Ansprüche 1 bis 15, wobei zur Inkubation gemäß Verfahrensschritt c) ein Antikörper verwendet wird, bei dem die biochemisch oder physikalisch chemisch nachweisbare Markierung ein radioaktives Isotop, ein Fluoreszenzfarbstoff oder ein Enzym ist.
- 15 17. Verfahren nach Anspruch 16, wobei ein Antikörper verwendet wird, bei dem das Enzym eine alkalische Phosphatase oder β -Galaktosidase ist.
18. Verfahren nach Anspruch 16, wobei ein Antikörper verwendet wird, bei dem der
20 Fluoreszenzfarbstoff ein Lanthanid-Komplex ist.
19. Verfahren nach Anspruch 18, wobei der Lanthanid-Komplex ein Europium-Komplex ist.
- 25 20. Ein Verfahren gemäß einem oder mehreren der Ansprüche 1 bis 19 zur Identifizierung eines Arzneimittels
21. Eine chemische Verbindung zur Modulierung der Wechselwirkung zwischen einer EVH1-Bindedomäne oder einem Protein mit einer EVH1-Bindedomäne und
30 einer EVH1-Domäne oder einem Protein mit einer EVH1-Domäne identifizierbar über ein Verfahren gemäß einem oder mehreren der Ansprüche 1 bis 19.

22. Eine chemische Verbindung nach Anspruch 20, wobei die chemische Verbindung ein Peptid mit einer Sequenz ausgewählt aus den Sequenzen FPPPP oder WPPPP oder deren prolinreiche Homologe oder chemischen Derivaten ist.
- 5 23. Verwendung einer chemischen Verbindung nach Anspruch 21 oder 22 zur Herstellung eines Arzneimittels zur Behandlung von Herz-Kreislaufkrankungen, inflammatorischen Erkrankungen oder neoplastischen Zell- und Gewebsveränderungen wie Krebs verwendet werden kann.
- 10 24. Monoklonaler Antikörper mAB IE245, der Bindspezifität gegen VASP hat.
25. Hybridomazellen DSM ACC2444, welche den monoklonalen Antikörper mAB IE245 produzieren können.
- 15 26. Monoklonaler Antikörper mAB IE273, der Bindspezifität gegen VASP hat.
27. Hybridomazellen DSM ACC2445, welche den monoklonalen Antikörper mAB IE273 produzieren können.
- 20 28. Oberfläche, die aus einem festen Körper besteht und mit einer EVH1-Bindedomäne oder einem Protein mit einer EVH1-Bindedomäne oder mit einer EVH1-Domäne oder einem Protein mit einer EVH1-Domäne beschichtet ist.
29. Oberfläche nach Anspruch 28, wobei das Protein, welches eine EVH1-
- 25 Bindedomäne hat, ein Zyxin oder ein Zyxinderivat ist.
30. Oberfläche nach Anspruch 28 oder 29, wobei das Zyxinderivat ein Fusionsprotein bestehend aus Zyxin oder einem Zyxinfragment und einer Glutation-S-Transferase oder aus Zyxin oder einem Zyxinfragment und einem Maltose-Bindeprotein ist.
- 30
31. Oberfläche nach Anspruch 29 oder 30, wobei das Zyxin eines Wirbeltiers verwendet wird.

32. Oberfläche nach Anspruch 29 oder 30, wobei humanes Zyxin verwendet wird.
33. Oberfläche nach einem oder mehreren der Ansprüche 28 bis 32, wobei die EVH1-Bindedomäne bzw. das Protein mit einer EVH1-Bindedomäne mit einer EVH1-Domäne bzw. einem Protein mit einer EVH1-Domäne wechselwirkt.
34. Oberfläche nach Anspruch 28 oder 33, wobei das Protein mit einer EVH1-Domäne ein VASP oder ein VASP-Derivat ist.
35. Oberfläche nach Anspruch 34, wobei das VASP eines Wirbeltiers verwendet wird.
36. Oberfläche nach Anspruch 34, wobei humanes VASP verwendet wird.
37. Mikrotiterplatte, welche eine Oberfläche gemäß einem oder mehreren der Ansprüche 28 bis 36 enthält.
38. Verfahren zur Identifizierung von chemischen Verbindungen, welche eine Wechselwirkung zwischen einer EVH1-Bindedomäne oder einem Protein mit einer EVH1-Bindedomäne und einer EVH1-Domäne oder einem Protein mit einer EVH1-Domäne modulieren können, enthaltend die Verfahrensschritte:
- a) In-Kontakt-Bringen einer EVH1-Bindedomäne oder eines Protein mit einer EVH1-Bindedomäne mit einer EVH1-Domäne oder einem Protein mit einer EVH1-Domäne in Gegenwart mindestens einer zu untersuchenden chemischen Verbindung, wobei an die EVH1-Bindedomäne oder ein Protein mit einer EVH1-Bindedomäne und/oder die EVH1-Domäne oder ein Protein mit einer EVH1-Domäne jeweils ein Fluoreszenzfarbstoff gekoppelt ist, der einen Energietransfer zwischen einer EVH1-Bindedomäne oder einem Protein mit einer EVH1-Bindedomäne und einer EVH1-Domäne oder einem Protein mit einer EVH1-Domäne ermöglicht;
- b) Spektroskopische Bestimmung nach Inkubation gemäß a).

39. Verfahren nach Anspruch 38, wobei als Fluoreszenzfarbstoff APC, Cy5, oder ein Lanthanidkomplex hierbei insbesondere ein Europium-Komplex verwendet wird. .
- 5 40. Verfahren nach Anspruch 38 oder 39, wobei das Protein mit einer EVH1-Domäne ein VASP oder ein VASP-Derivat ist.
41. Verfahren nach Anspruch 40, wobei das VASP eines Wirbeltiers verwendet wird.
- 10 42. Verfahren nach Anspruch 40, wobei humanes VASP verwendet wird.
43. Verfahren nach einem oder mehreren der Ansprüche 38 bis 42, wobei das Protein mit der EVH1-Bindedomäne ein Zyxin oder ein Zyxinderivat ist.
- 15 44. Verfahren nach Anspruch 43, wobei das Zyxinderivat ein Fusionsprotein von Zyxin oder einem Zyxinfragment mit einer Glutathion-S-Transferase oder von Zyxin oder einem Zyxinfragment mit Maltose-Bindeprotein ist.
45. Verfahren nach Anspruch 43 oder 44, wobei das Zyxin eines Wirbeltiers verwendet
20 wird.
46. Verfahren nach Anspruch 43 oder 44, wobei humanes Zyxin verwendet wird.
47. Verfahren zur Herstellung einer pharmazeutischen Zubereitung zur Modulierung
25 der Wechselwirkung zwischen einer EVH1-Bindedomäne oder einem Protein mit einer EVH1-Bindedomäne und einer EVH1-Domäne oder einem Protein mit einer EVH1-Domäne, wobei eine Verbindung mittels eines Verfahrens gemäß einem oder mehreren der Ansprüche 1 bis 19 und/oder 38 bis 46 identifiziert wird, mit pharmazeutischen Hilfsstoffen und/oder pharmazeutischen Trägern versetzt wird und
30 anschließend gegebenenfalls in eine pharmazeutische Darreichungsform gebracht wird.

1/5



2/5

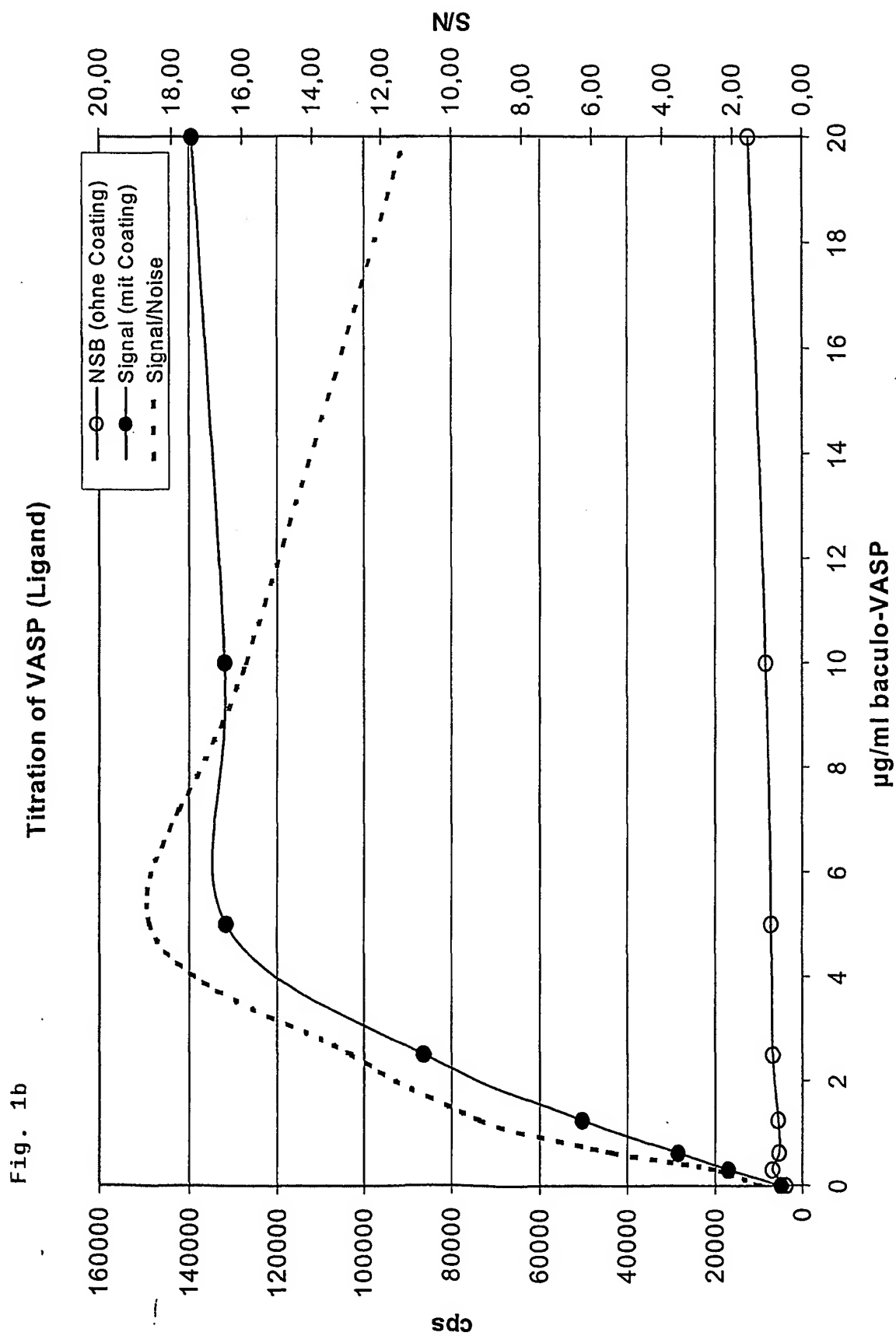
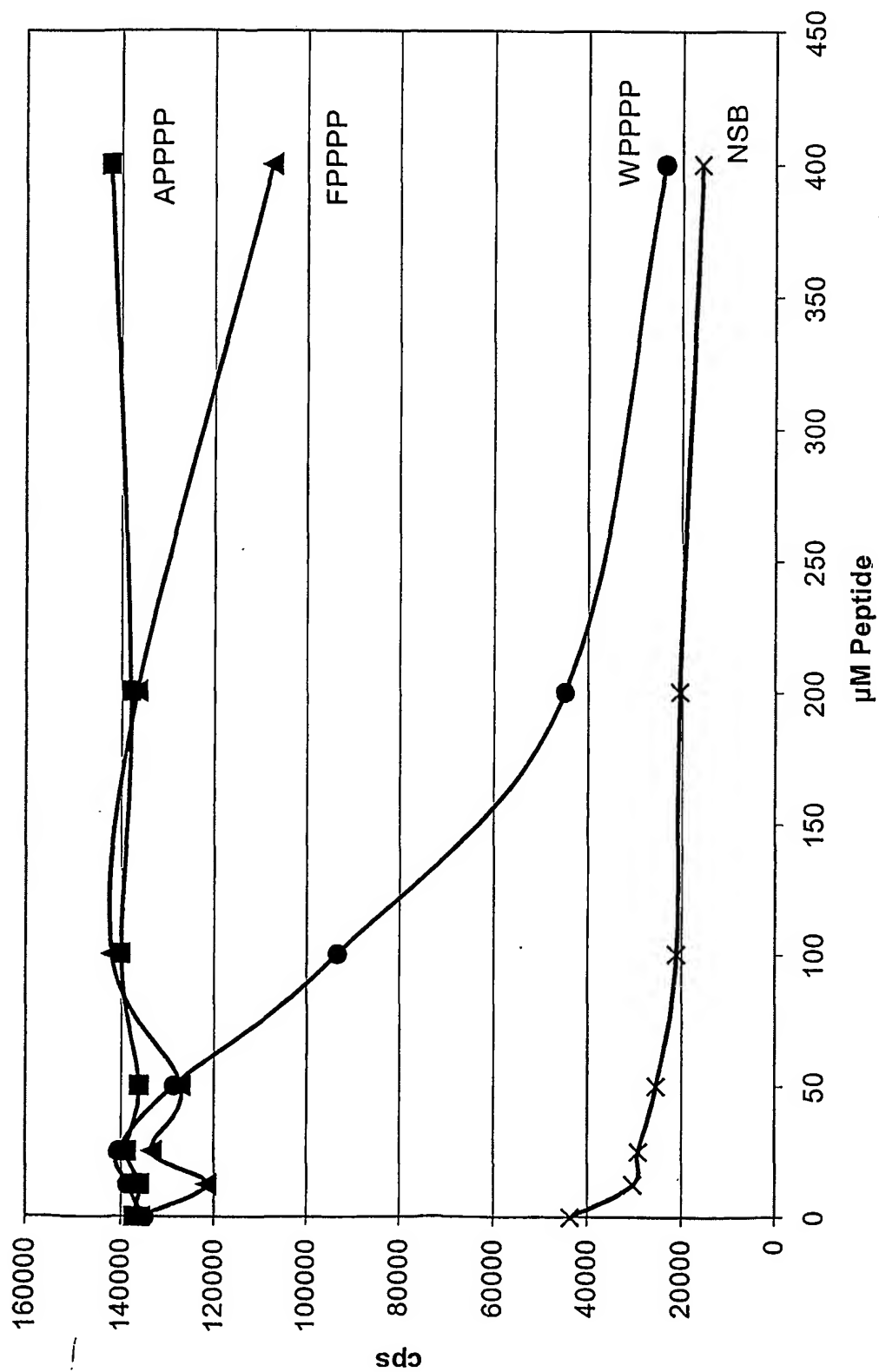
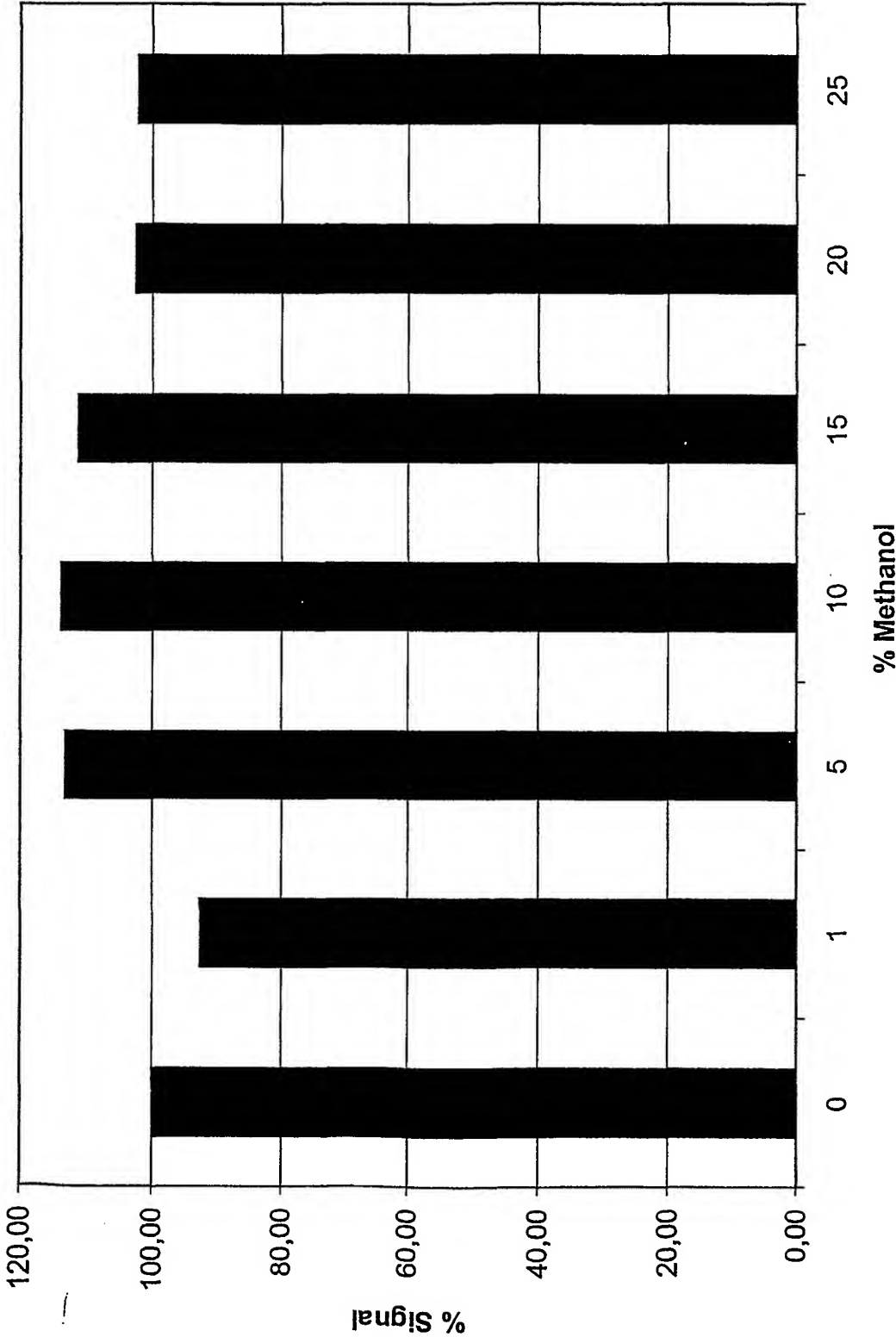


Fig. 2

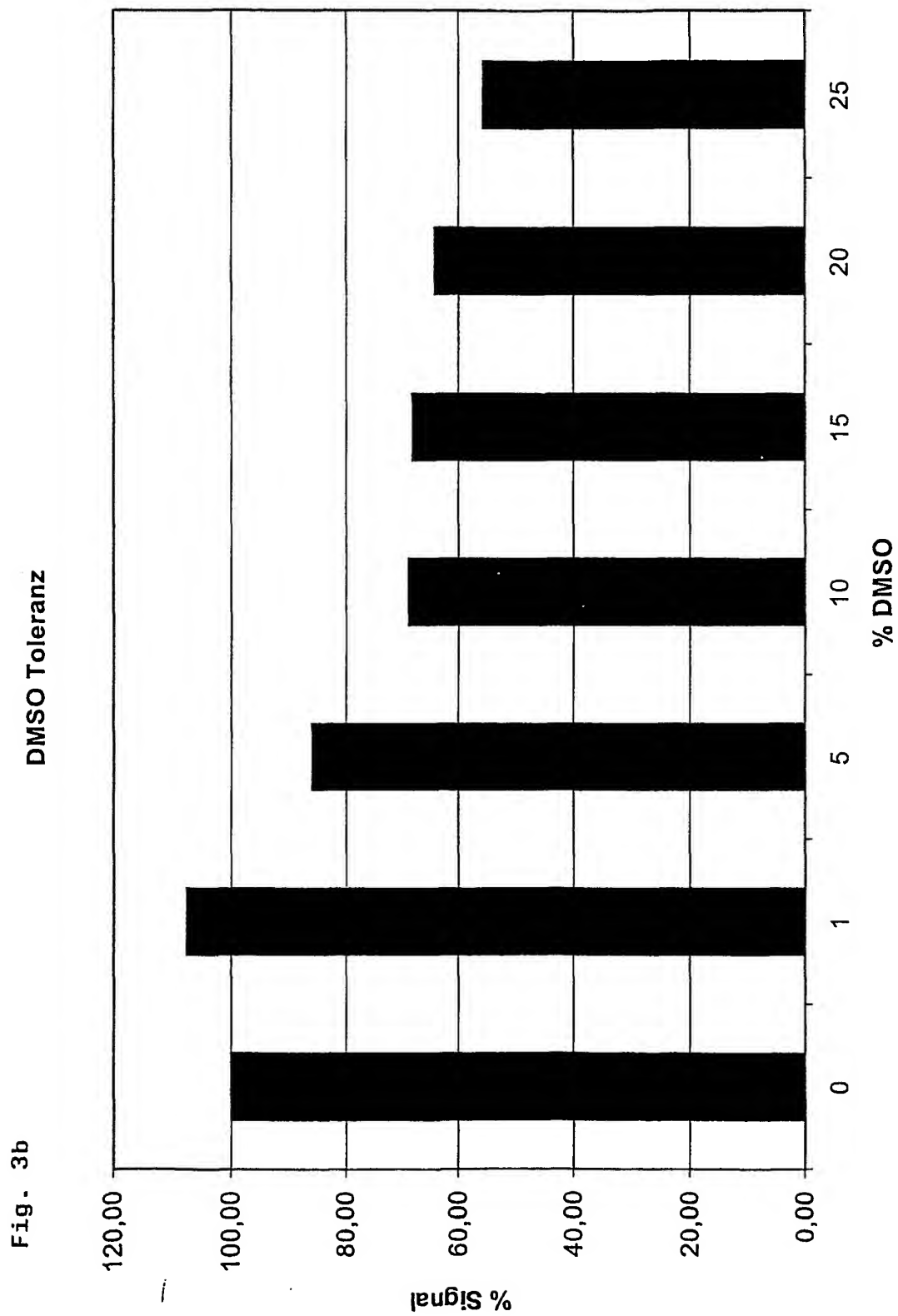


Methanol Toleranz

Fig. 3a



5/5



(12) NACH DEM VERTRAG ÜBER DIE INTERNATIONALE ZUSAMMENARBEIT AUF DEM GEBIET DES
PATENTWESENS (PCT) VERÖFFENTLICHTE INTERNATIONALE ANMELDUNG

(19) Weltorganisation für geistiges Eigentum
Internationales Büro



(43) Internationales Veröffentlichungsdatum
30. Mai 2002 (30.05.2002)

PCT

(10) Internationale Veröffentlichungsnummer
WO 2002/042777 A3

(51) Internationale Patentklassifikation⁷: G01N 33/68, C07K 16/18, G01N 33/50

(21) Internationales Aktenzeichen: PCT/EP2001/013592

(22) Internationales Anmeldedatum:
22. November 2001 (22.11.2001)

(25) Einreichungssprache: Deutsch

(26) Veröffentlichungssprache: Deutsch

(30) Angaben zur Priorität:
100 58 596.5 25. November 2000 (25.11.2000) DE

(81) Bestimmungsstaaten (*national*): AE, AG, AL, AM, AT, AU, AZ, BA, BB, BG, BR, BY, BZ, CA, CH, CN, CO, CR, CU, CZ, DE, DK, DM, DZ, EE, ES, FI, GB, GD, GE, GH, GM, HR, HU, ID, IL, IN, IS, JP, KE, KG, KP, KR, KZ, LC, LK, LR, LS, LT, LU, LV, MA, MD, MG, MK, MN, MW, MX, MZ, NO, NZ, OM, PH, PL, PT, RO, RU, SD, SE, SG, SI, SK, SL, TJ, TM, TR, TT, TZ, UA, UG, UZ, VN, YU, ZA, ZW.

(84) Bestimmungsstaaten (*regional*): ARIPO-Patent (GH, GM, KE, LS, MW, MZ, SD, SL, SZ, TZ, UG, ZM, ZW), eurasisches Patent (AM, AZ, BY, KG, KZ, MD, RU, TJ, TM), europäisches Patent (AT, BE, CH, CY, DE, DK, ES, FI, FR, GB, GR, IE, IT, LU, MC, NL, PT, SE, TR), OAPI-Patent (BF, BJ, CF, CG, CI, CM, GA, GN, GQ, GW, ML, MR, NE, SN, TD, TG).

(71) Anmelder: AVENTIS PHARMA DEUTSCHLAND GMBH [DE/DE]; Brüningstraße 50, 65929 Frankfurt (DE). VASOPHARM BIOTECH GMBH [DE/DE]; Sedanstrasse 27, 97082 Würzburg (DE).

Veröffentlicht:

— mit internationalem Recherchenbericht

(72) Erfinder: JORDAN, Birgit; Im Höhlchen 44, 65795 Hattersheim (DE). DRÜCKES, Peter; Hummelstr. 11, 79100 Freiburg (DE). JARCHAU, Thomas; St. Rochus-Str. 66, 97078 Würzburg (DE). WALTER, Ulrich; Leichtacker 6, 97209 Veitshöchheim (DE).

(88) Veröffentlichungsdatum des internationalen
Recherchenberichts: 15. Januar 2004

Zur Erklärung der Zweibuchstaben-Codes und der anderen Abkürzungen wird auf die Erklärungen ("Guidance Notes on Codes and Abbreviations") am Anfang jeder regulären Ausgabe der PCT-Gazette verwiesen.

(54) Title: MODULATION OF THE INTERACTION BETWEEN EVH1 DOMAINS

(54) Bezeichnung: MODULIERUNG DER WECHSELWIRKUNG ZWISCHEN EVH1-DOMÄNEN

(57) Abstract: The invention relates to methods for the identification of chemical compounds which can modulate the interaction between VASP and zyxin. VASP or a VASP derivative and zyxin or a zyxin derivative, which interact with each other, are brought into contact with a chemical compound under investigation. The influence on the interaction can be determined by means of antibodies for VASP or a VASP derivative and/or zyxin or a zyxin derivative, or by means of fluorescent markings on VASP or a VASP derivative and zyxin or a zyxin derivative.

(57) Zusammenfassung: Die Erfindung betrifft Verfahren zur Identifizierung von chemischen Verbindungen, welche die Wechselwirkung zwischen VASP und Zyxin modulieren können. VASP oder ein VASP-Derivat und Zyxin oder ein Zyxinderivat, welche miteinander wechselwirken, werden in Kontakt gebracht mit einer zu untersuchenden chemischen Verbindung. Die Beeinflussung der Wechselwirkung kann mittels Antikörper gegen VASP oder ein VASP-Derivat und/oder Zyxin oder ein Zyxinderivat oder mit Hilfe von fluoreszenzmarkierungen an VASP oder einem VASP-Derivat und Zyxin oder einem Zyxinderivat bestimmt werden.

WO 2002/042777 A3

A. CLASSIFICATION OF SUBJECT MATTER
 IPC 7 G01N33/68 C07K16/18 G01N33/50

According to International Patent Classification (IPC) or to both national classification and IPC

B. FIELDS SEARCHED

Minimum documentation searched (classification system followed by classification symbols)
 IPC 7 G01N

Documentation searched other than minimum documentation to the extent that such documents are included in the fields searched

Electronic data base consulted during the International search (name of data base and, where practical, search terms used)

BIOSIS, EMBASE, MEDLINE, EPO-Internal

C. DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT

Category *	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
X	WO 98 01755 A (BIOTECHNOLOG FORSCHUNG GMBH ; HUTCHINSON FRED CANCER RES (US)) 15 January 1998 (1998-01-15) the whole document	1-15, 17, 20, 24-37
Y	---	16, 18, 19, 38-46
	--- -/-	

☒ Further documents are listed in the continuation of box C.

☒ Patent family members are listed in annex.

* Special categories of cited documents :

- *A* document defining the general state of the art which is not considered to be of particular relevance
- *E* earlier document but published on or after the international filing date
- *L* document which may throw doubts on priority claim(s) or which is cited to establish the publication date of another citation or other special reason (as specified)
- *O* document referring to an oral disclosure, use, exhibition or other means
- *P* document published prior to the international filing date but later than the priority date claimed

T later document published after the international filing date or priority date and not in conflict with the application but cited to understand the principle or theory underlying the invention

X document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered novel or cannot be considered to involve an inventive step when the document is taken alone

Y document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered to involve an inventive step when the document is combined with one or more other such documents, such combination being obvious to a person skilled in the art.

G document member of the same patent family

Date of the actual completion of the international search

18 February 2003

Date of mailing of the international search report

10/03/2003

Name and mailing address of the ISA

European Patent Office, P.B. 5818 Patentlaan 2
 NL - 2280 HV Rijswijk
 Tel. (+31-70) 340-2040, Tx. 31 651 epo nl,
 Fax: (+31-70) 340-3016

Authorized officer

Stricker, J-E

C.(Continuation) DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT

Category *	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
P,Y	<p>DATABASE BIOSIS 'Online! BIOSCIENCES INFORMATION SERVICE, PHILADELPHIA, PA, US; August 2001 (2001-08) BADER BENJAMIN ET AL: "A cGMP-dependent protein kinase assay for high throughput screening based on time-resolved fluorescence resonance energy transfer." Database accession no. PREV200100428261 XP002231552 abstract & JOURNAL OF BIOMOLECULAR SCREENING, vol. 6, no. 4, August 2001 (2001-08), pages 255-264, ISSN: 1087-0571</p>	<p>16,18, 19,38-46</p>
P,X	<p>WO 01 74858 A (BIOTECHNOLOG FORSCHUNG GMBH ; SECHI ANTONIO S (DE); WEHLAND JURGEN) 11 October 2001 (2001-10-11) the whole document</p>	<p>1-20, 24-46</p>
E	<p>WO 01 96594 A (WALTER ULRICH ;BADER BENJAMIN (DE); DRUECKES PETER (DE); JARCHAU T) 20 December 2001 (2001-12-20) the whole document</p>	<p>1-20, 24-46</p>

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.

PCT/EP 01/13592

Box I Observations where certain claims were found unsearchable (Continuation of item 1 of first sheet)

This international search report has not been established in respect of certain claims under Article 17(2)(a) for the following reasons:

1. ☐ Claims Nos.:
because they relate to subject matter not required to be searched by this Authority, namely:
2. ☒ Claims Nos.: 21, 22, 23, 47
because they relate to parts of the international application that do not comply with the prescribed requirements to such an extent that no meaningful international search can be carried out, specifically:

See Further Information Sheet PCT/ISA/210

3. ☐ Claims Nos.:
because they are dependent claims and are not drafted in accordance with the second and third sentences of Rule 6.4(a).

Box II Observations where unity of invention is lacking (Continuation of item 2 of first sheet)

This International Searching Authority found multiple inventions in this international application, as follows:

1. ☐ As all required additional search fees were timely paid by the applicant, this international search report covers all searchable claims.
2. ☐ As all searchable claims could be searched without effort justifying an additional fee, this Authority did not invite payment of any additional fee.
3. ☐ As only some of the required additional search fees were timely paid by the applicant, this international search report covers only those claims for which fees were paid, specifically claims Nos.:
4. ☐ No required additional search fees were timely paid by the applicant. Consequently, this international search report is restricted to the invention first mentioned in the claims; it is covered by claims Nos.:

Remark on Protest

- ☐ The additional search fees were accompanied by the applicant's protest.
- ☐ No protest accompanied the payment of additional search fees.

Continuation of Box I, 2

Claims: 21, 22, 23, 47

The current claims 21, 22, 23 and 47 concern a compound and its use, each characterized by a desirable characteristic or property, namely the modulation of the interaction between an EVH1-binding domain or a protein having an EVH1-binding domain and an EVH1 domain or a protein having an EVH1 domain.

The claims therefore encompass all products, etc. that have this characteristic or property, but the application provides support by the description (PCT Article 5) for only a limited number of such products, etc. In the present case the claims lack the proper support and the application lacks the requisite disclosure to such an extent that it appears impossible to carry out a meaningful search covering the entire range of protection sought.

The applicant is advised that claims or parts of claims relating to inventions in respect of which no international search report has been established normally need not be the subject of an international preliminary examination (PCT Rule 66.1(e)). In its capacity as International Preliminary Examining Authority the EPO generally will not carry out a preliminary examination for subjects that have not been searched. This also applies to cases where the claims were amended after receipt of the international search report (PCT Article 19) or where the applicant submits new claims in the course of the procedure under PCT Chapter II.

Patent document cited in search report		Publication date	Patent family member(s)		Publication date
WO 9801755	A	15-01-1998	WO	9801755 A1	15-01-1998
WO 0174858	A	11-10-2001	AU	5310401 A	15-10-2001
			WO	0174858 A2	11-10-2001
			US	2002037286 A1	28-03-2002
WO 0196594	A	20-12-2001	DE	10029210 A1	31-01-2002
			AU	6395601 A	24-12-2001
			WO	0196594 A2	20-12-2001

A. KLASSIFIZIERUNG DES ANMELDUNGSGEGENSTANDES
 IPK 7 G01N33/68 C07K16/18 G01N33/50

Nach der Internationalen Patentklassifikation (IPK) oder nach der nationalen Klassifikation und der IPK

B. RECHERCHIERTE GEBIETE

Recherchierter Mindestprüfstoff (Klassifikationssystem und Klassifikationssymbole)
 IPK 7 G01N

Recherchierte aber nicht zum Mindestprüfstoff gehörende Veröffentlichungen, soweit diese unter die recherchierten Gebiete fallen

Während der internationalen Recherche konsultierte elektronische Datenbank (Name der Datenbank und evtl. verwendete Suchbegriffe)

BIOSIS, EMBASE, MEDLINE, EPO-Internal

C. ALS WESENTLICH ANGESEHENE UNTERLAGEN

Kategorie*	Bezeichnung der Veröffentlichung, soweit erforderlich unter Angabe der in Betracht kommenden Teile	Betr. Anspruch Nr.
X	WO 98 01755 A (BIOTECHNOLOG FORSCHUNG GMBH ; HUTCHINSON FRED CANCER RES (US)) 15. Januar 1998 (1998-01-15) das ganze Dokument	1-15, 17, 20, 24-37
Y	---	16, 18, 19, 38-46
	--- -/--	



Weitere Veröffentlichungen sind der Fortsetzung von Feld C zu entnehmen



Siehe Anhang Patentfamilie

* Besondere Kategorien von angegebenen Veröffentlichungen :

- *A* Veröffentlichung, die den allgemeinen Stand der Technik definiert, aber nicht als besonders bedeutsam anzusehen ist
- *E* älteres Dokument, das jedoch erst am oder nach dem internationalen Anmeldedatum veröffentlicht worden ist
- *L* Veröffentlichung, die geeignet ist, einen Prioritätsanspruch zweifelhaft erscheinen zu lassen, oder durch die das Veröffentlichungsdatum einer anderen im Recherchenbericht genannten Veröffentlichung belegt werden soll oder die aus einem anderen besonderen Grund angegeben ist (wie ausgeführt)
- *O* Veröffentlichung, die sich auf eine mündliche Offenbarung, eine Benutzung, eine Ausstellung oder andere Maßnahmen bezieht
- *P* Veröffentlichung, die vor dem internationalen Anmeldedatum, aber nach dem beanspruchten Prioritätsdatum veröffentlicht worden ist

T Spätere Veröffentlichung, die nach dem internationalen Anmeldedatum oder dem Prioritätsdatum veröffentlicht worden ist und mit der Anmeldung nicht kollidiert, sondern nur zum Verständnis des der Erfindung zugrundeliegenden Prinzips oder der ihr zugrundeliegenden Theorie angegeben ist

X Veröffentlichung von besonderer Bedeutung; die beanspruchte Erfindung kann allein aufgrund dieser Veröffentlichung nicht als neu oder auf erfinderischer Tätigkeit beruhend betrachtet werden

Y Veröffentlichung von besonderer Bedeutung; die beanspruchte Erfindung kann nicht als auf erfinderischer Tätigkeit beruhend betrachtet werden, wenn die Veröffentlichung mit einer oder mehreren anderen Veröffentlichungen dieser Kategorie in Verbindung gebracht wird und diese Verbindung für einen Fachmann naheliegend ist

G Veröffentlichung, die Mitglied derselben Patentfamilie ist

Datum des Abschlusses der internationalen Recherche

18. Februar 2003

Absenddatum des internationalen Recherchenberichts

10/03/2003

Name und Postanschrift der internationalen Recherchenbehörde
 Europäisches Patentamt, P.B. 5818 Patentlaan 2
 NL - 2280 HV Rijswijk
 Tel. (+31-70) 340-2040, Tx. 31 651 epo nl,
 Fax: (+31-70) 340-3016

Bevollmächtigter Bediensteter

Stricker, J-E

C.(Fortsetzung) ALS WESENTLICH ANGESEHENE UNTERLAGEN

Kategorie*	Bezeichnung der Veröffentlichung, soweit erforderlich unter Angabe der in Betracht kommenden Teile	Betr. Anspruch Nr.
P,Y	<p>DATABASE BIOSIS 'Online! BIOSCIENCES INFORMATION SERVICE, PHILADELPHIA, PA, US; August 2001 (2001-08) BADER BENJAMIN ET AL: "A cGMP-dependent protein kinase assay for high throughput screening based on time-resolved fluorescence resonance energy transfer." Database accession no. PREV200100428261 XP002231552 Zusammenfassung & JOURNAL OF BIOMOLECULAR SCREENING, Bd. 6, Nr. 4, August 2001 (2001-08), Seiten 255-264, ISSN: 1087-0571</p> <p style="text-align: center;">---</p>	16,18, 19,38-46
P,X	<p>WO 01 74858 A (BIOTECHNOLOG FORSCHUNG GMBH ;SECHI ANTONIO S (DE); WEHLAND JURGEN) 11. Oktober 2001 (2001-10-11) das ganze Dokument</p> <p style="text-align: center;">---</p>	1-20, 24-46
E	<p>WO 01 96594 A (WALTER ULRICH ;BADER BENJAMIN (DE); DRUECKES PETER (DE); JARCHAU T) 20. Dezember 2001 (2001-12-20) das ganze Dokument</p> <p style="text-align: center;">-----</p>	1-20, 24-46

Feld I Bemerkungen zu den Ansprüchen, die sich als nicht recherchierbar erwiesen haben (Fortsetzung von Punkt 2 auf Blatt 1)

Gemäß Artikel 17(2)a) wurde aus folgenden Gründen für bestimmte Ansprüche kein Recherchenbericht erstellt:

1. ☐ Ansprüche Nr.
weil sie sich auf Gegenstände beziehen, zu deren Recherche die Behörde nicht verpflichtet ist, nämlich

2. ☒ Ansprüche Nr. 21, 22, 23, 47
weil sie sich auf Teile der internationalen Anmeldung beziehen, die den vorgeschriebenen Anforderungen so wenig entsprechen, daß eine sinnvolle internationale Recherche nicht durchgeführt werden kann, nämlich
siehe Zusatzblatt WEITERE ANGABEN PCT/ISA/210

3. ☐ Ansprüche Nr.
weil es sich dabei um abhängige Ansprüche handelt, die nicht entsprechend Satz 2 und 3 der Regel 6.4 a) abgefaßt sind.

Feld II Bemerkungen bei mangelnder Einheitlichkeit der Erfindung (Fortsetzung von Punkt 3 auf Blatt 1)

Die internationale Recherchenbehörde hat festgestellt, daß diese Internationale Anmeldung mehrere Erfindungen enthält:

1. ☐ Da der Anmelder alle erforderlichen zusätzlichen Recherchegebühren rechtzeitig entrichtet hat, erstreckt sich dieser Internationale Recherchenbericht auf alle recherchierbaren Ansprüche.

2. ☐ Da für alle recherchierbaren Ansprüche die Recherche ohne einen Arbeitsaufwand durchgeführt werden konnte, der eine zusätzliche Recherchegebühr gerechtfertigt hätte, hat die Behörde nicht zur Zahlung einer solchen Gebühr aufgefordert.

3. ☐ Da der Anmelder nur einige der erforderlichen zusätzlichen Recherchegebühren rechtzeitig entrichtet hat, erstreckt sich dieser Internationale Recherchenbericht nur auf die Ansprüche, für die Gebühren entrichtet worden sind, nämlich auf die Ansprüche Nr.

4. ☐ Der Anmelder hat die erforderlichen zusätzlichen Recherchegebühren nicht rechtzeitig entrichtet. Der Internationale Recherchenbericht beschränkt sich daher auf die in den Ansprüchen zuerst erwähnte Erfindung; diese ist in folgenden Ansprüchen erfaßt:

Bemerkungen hinsichtlich eines Widerspruchs

- ☐ Die zusätzlichen Gebühren wurden vom Anmelder unter Widerspruch gezahlt.
- ☐ Die Zahlung zusätzlicher Recherchegebühren erfolgte ohne Widerspruch.

WEITERE ANGABEN

PCT/ISA/ 210

Fortsetzung von Feld I.2

Ansprüche Nr.: 21,22,23,47

Die geltenden Patentansprüche 21,22,23 und 47 beziehen sich auf eine Verbindung und deren Verwendung, jeweils charakterisiert durch eine erstrebenswerte Eigenheit oder Eigenschaft, nämlich die Modulierung der Wechselwirkung zwischen einer EVH1-Bindedomäne oder einem Protein mit einer EVH1-Bindedomäne und einer EVH1-Domäne oder einem Protein mit einer EVH1-Domäne.

Die Patentansprüche umfassen daher alle Produkte etc., die diese Eigenheit oder Eigenschaft aufweisen, wohingegen die Patentanmeldung Stütze durch die Beschreibung im Sinne von Art. 5 PCT nur für eine begrenzte Zahl solcher Produkte etc. liefert. Im vorliegenden Fall fehlen den Patentansprüchen die entsprechende Stütze bzw. der Patentanmeldung die nötige Offenbarung in einem solchen Maße, daß eine sinnvolle Recherche über den gesamten erstrebten Schutzbereich unmöglich erscheint.

Der Anmelder wird darauf hingewiesen, daß Patentansprüche, oder Teile von Patentansprüchen, auf Erfindungen, für die kein internationaler Recherchenbericht erstellt wurde, normalerweise nicht Gegenstand einer internationalen vorläufigen Prüfung sein können (Regel 66.1(e) PCT). In seiner Eigenschaft als mit der internationalen vorläufigen Prüfung beauftragte Behörde wird das EPA also in der Regel keine vorläufige Prüfung für Gegenstände durchführen, zu denen keine Recherche vorliegt. Dies gilt auch für den Fall, daß die Patentansprüche nach Erhalt des internationalen Recherchenberichtes geändert wurden (Art. 19 PCT), oder für den Fall, daß der Anmelder im Zuge des Verfahrens gemäß Kapitel II PCT neue Patentansprüche vorlegt.

Im Recherchenbericht angeführtes Patentdokument			Datum der Veröffentlichung		Mitglied(er) der Patentfamilie		Datum der Veröffentlichung	
WO 9801755	A	15-01-1998	WO	9801755 A1			15-01-1998	
WO 0174858	A	11-10-2001	AU	5310401 A			15-10-2001	
			WO	0174858 A2			11-10-2001	
			US	2002037286 A1			28-03-2002	
WO 0196594	A	20-12-2001	DE	10029210 A1			31-01-2002	
			AU	6395601 A			24-12-2001	
			WO	0196594 A2			20-12-2001	